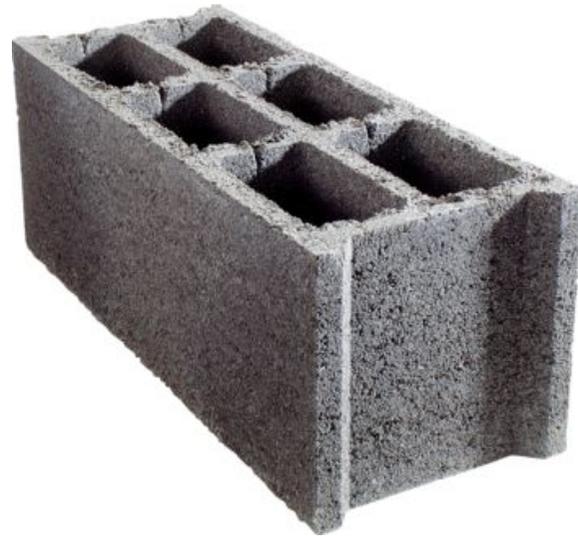


Graphiques

Ewen Gallic

Université de Rennes 1, 2014 - 2015

Structure



Plusieurs packages

- Créer des graphiques en R peut se faire à l'aide de plusieurs packages :
 - `graphics`,
 - `lattice`,
 - `rgl`,
 - `ggplot2` ;
- Nous allons aborder les graphiques réalisés avec `ggplot2`.

Superposition de couches

- Les graphiques avec `ggplot2` sont créés par **couches** ("layers") ;
- La première contient les données brutes ;
- Les suivantes servent à mettre en forme ces données ;
- Le tout s'appuie sur une **grammaire graphique**.

Grammaire

- La grammaire crée une "carte" qui fait un **plan** ("mapping") pour passer :
 - des données,
 - aux **attributs esthétiques** (couleur, forme, taille, etc.) des **objets géométriques** (points, lignes, polygones, etc.) ;
- Elle permet également d'appliquer des **transformations** aux données ;
- Ou encore de faire du **facettage** ("faceting").

Grammaire

- Il est nécessaire de charger le package `ggplot2` (et de l'installer lors de la première utilisation) :

```
install.packages("ggplot2")  
library(ggplot2)
```

- L'aide en ligne est précieuse : <http://docs.ggplot2.org/current/>

Éléments de structure

- Les éléments de la grammaire graphique de `ggplot2` sont :
 - des données brutes (`data`),
 - une projection graphique (`mapping`),
 - des objets géométriques (`geom`),
 - des transformations statistiques (`stats`),
 - des échelles (`scale`),
 - un système de coordonnées (`coord`),
 - une indication de regroupement éventuels (`facet`).

Syntaxe

- La création d'un graphique avec `ggplot2` commence par l'appel de la fonction `ggplot()` ;
- On peut lui fournir les données et la projection graphique ;
- Mais il faut lui ajouter (à l'aide de `+`) une couche indiquant la géométrie.

```
ggplot(data, aes(x, y)) + layers
```

- Les données doivent être dans un `data.frame`.

Des graphiques élaborés avec **ggplot()**

ARRANGED



PRESENTED
VISUALLY



Source : <http://www.hotbutterstudio.com/#/alps/>

Données pour les exemples

- Échantillon de 135 films (Source : [freebase](#)) ;
- Informations sur :
 - nom,
 - date de sortie,
 - durée,
 - année,
 - budget estimé,
 - revenu brut estimé,
 - principal lieu de tournage,
 - abréviation du principal lieu de tournage.

```
load(url("http://editerna.free.fr/films.rda"))
```

Données pour les exemples

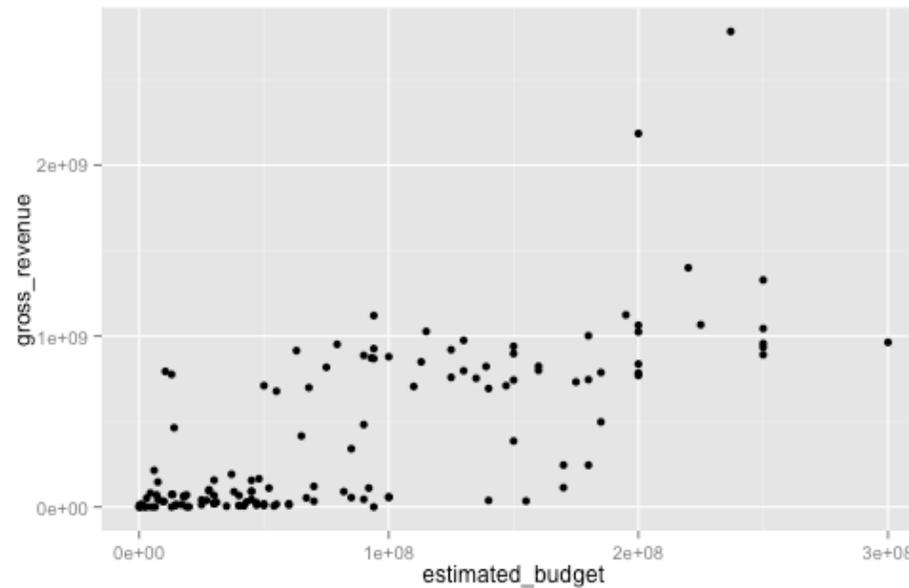
- Créons une sous-base, qui ne concerne que quelques pays :

```
pays_liste <- c("United States of America", "New Zealand",  
               "United Kingdom", "Spain")  
films_reduit <- films[which(films$country %in% pays_liste),]
```

Un premier graphique

- Voici un premier exemple de graphique : un nuage de points :

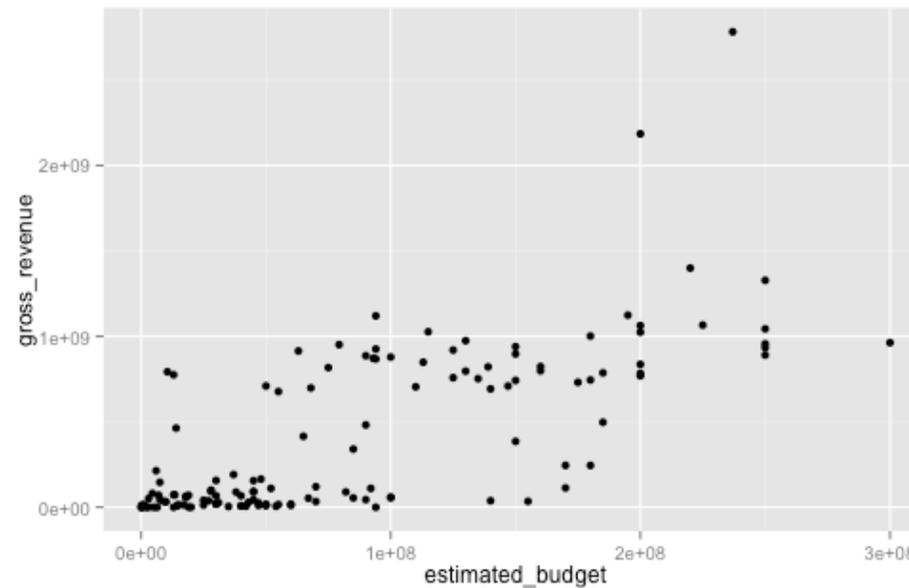
```
ggplot(data = films, aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue)) + geom_point()
```



Un premier graphique

- Il est possible de stocker un graphique `ggplot2` dans une variable :

```
p <- ggplot(data = films, aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue)) + geom_point()  
print(p)
```

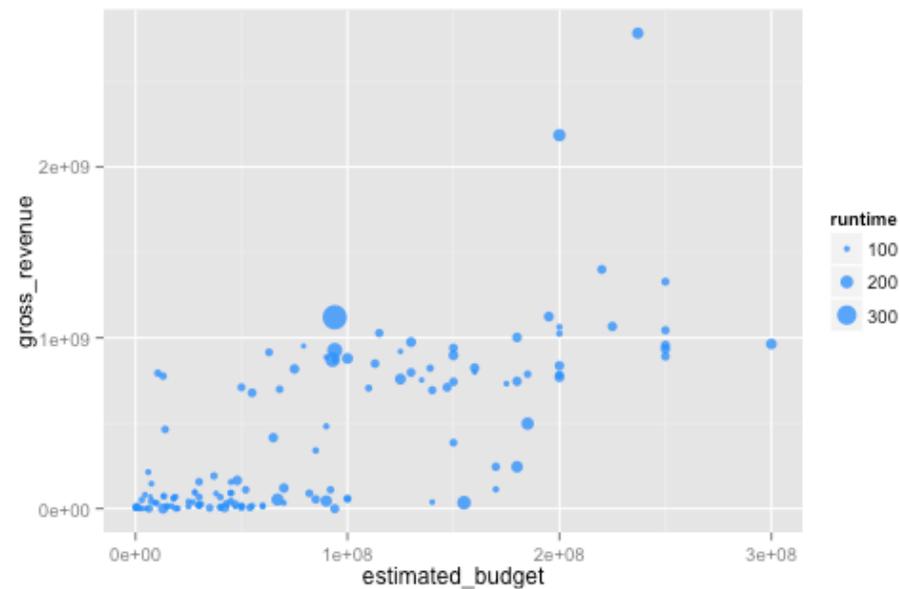


Paramètres esthétiques

- Parmi les paramètres esthétiques on retrouve :
 - `colour` : la couleur,
 - `shape` : la forme,
 - `size` : la taille,
 - `alpha` : la transparence,
 - `fill` : le remplissage ;
- La valeur prise par ces paramètres peut :
 - être identique pour toutes les observations,
 - dépendre d'une variable facteur.

Paramètres esthétiques

```
ggplot(data = films, aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue)) +  
  geom_point(colour = "dodger blue", alpha = .8, aes(size = runtime))
```



Exercice

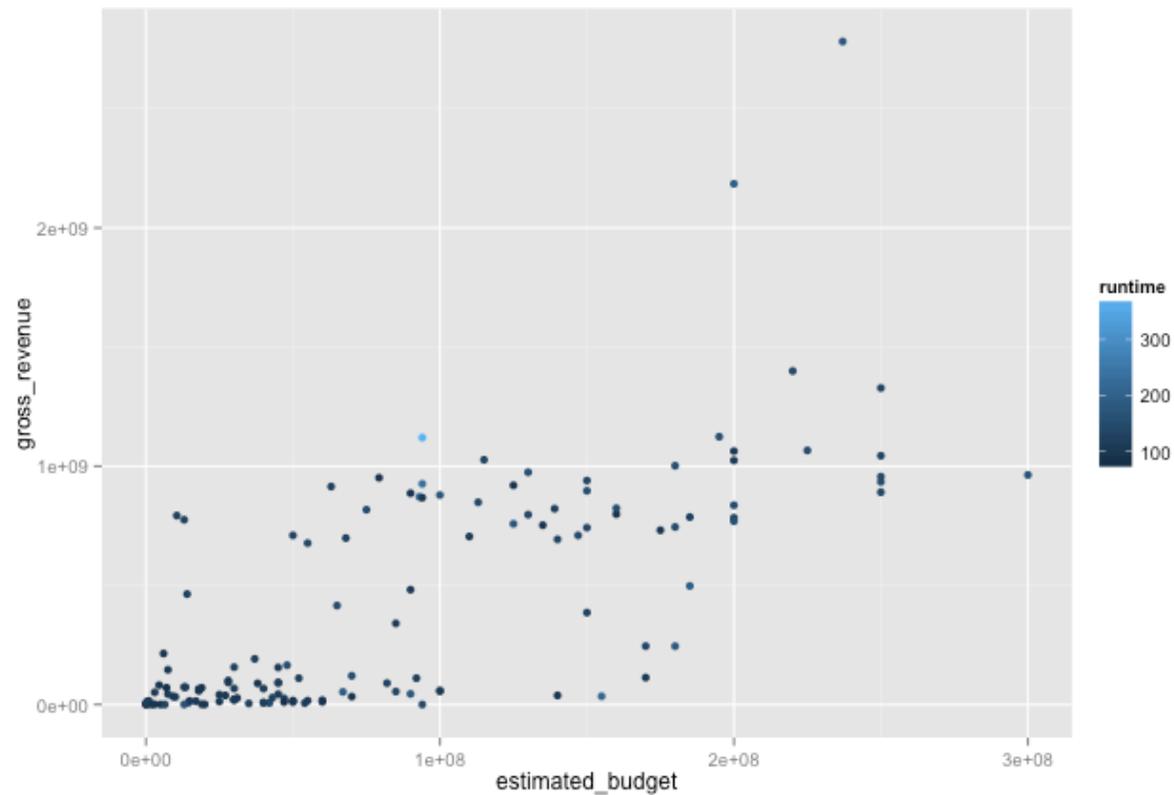
1. Créer un nuage de points représentant la durée des films en fonction de leur budget :
 - la couleur devra correspondre au budget estimé,
 - tester plusieurs valeurs de taille pour les points,
 - tester plusieurs valeurs de formes pour les points,
 - tester différentes valeurs de transparence.

Paramètres esthétiques

- Lorsqu'un paramètre esthétique dépend d'une variable du `data.frame`, une distinction est faite en fonction du mode de cette variable ;
- Par exemple, pour une variable **numérique** fournie à l'esthétique de couleurs, une **échelle de couleurs** sera utilisée ;
- Si en revanche la variable est un **facteur**, une **palette de couleurs** sera utilisée.

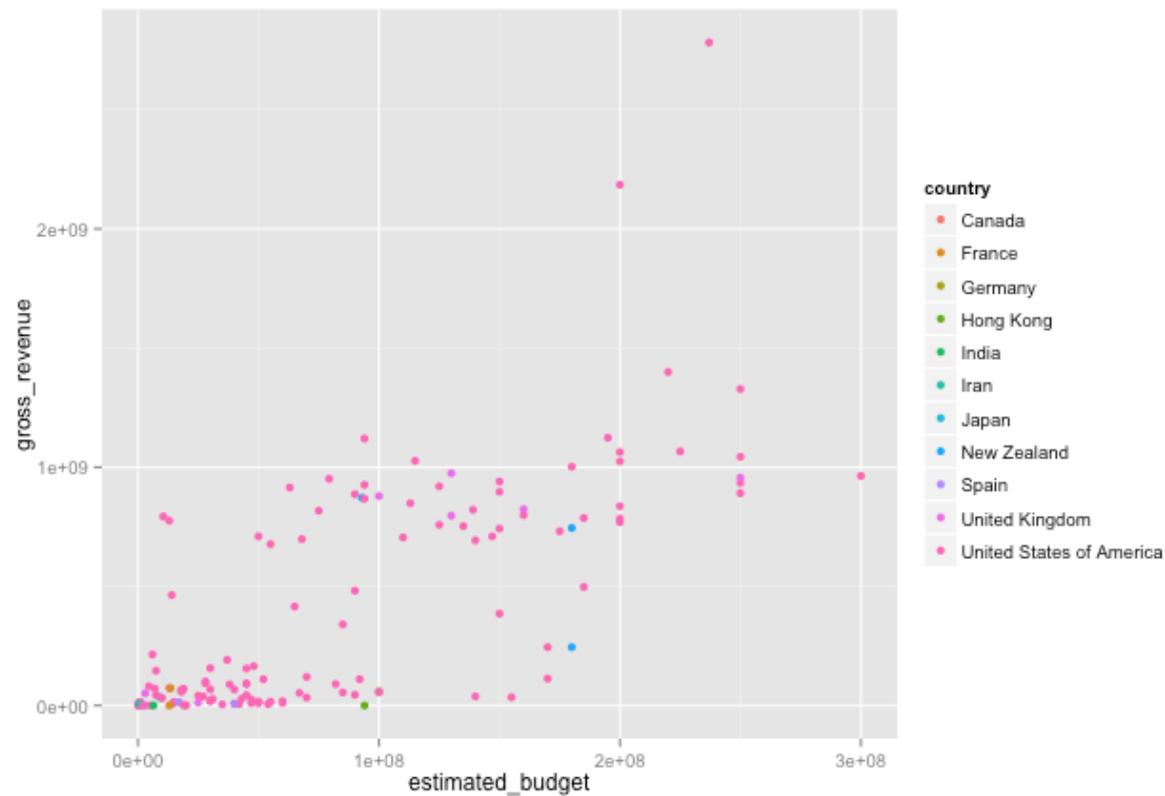
Paramètres esthétiques

```
ggplot() + geom_point(data = films,  
                      aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue, col = runtime))
```



Paramètres esthétiques

```
ggplot() + geom_point(data = films,  
                      aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue, col = country))
```



Paramètres géométriques

- Les paramètres géométriques indiquent quel type de représentation on souhaite afficher ;
- On le précise en ajoutant une couche au graphique :
 - `geom_point()` : tracer des points ;
 - `geom_line()` : tracer des lignes ;
 - `geom_polygon()` : tracer des lignes ;
 - `geom_path()` : tracer des points dans l'ordre du data frame ;
 - `geom_step()` : faire un graphique en escalier ;
 - `geom_boxplot()` : tracer une boîte à moustache ;
 - `geom_jitter()` : mettre des points côte à côte pour une variable catégorielle ;
 - `geom_smooth()` : ajouter une courbe de tendance ;
 - `geom_histogram()` : tracer un histogramme ;
 - `geom_bar()` : tracer un diagramme en bâton ;
 - `geom_density()` : tracer une estimation de densité.

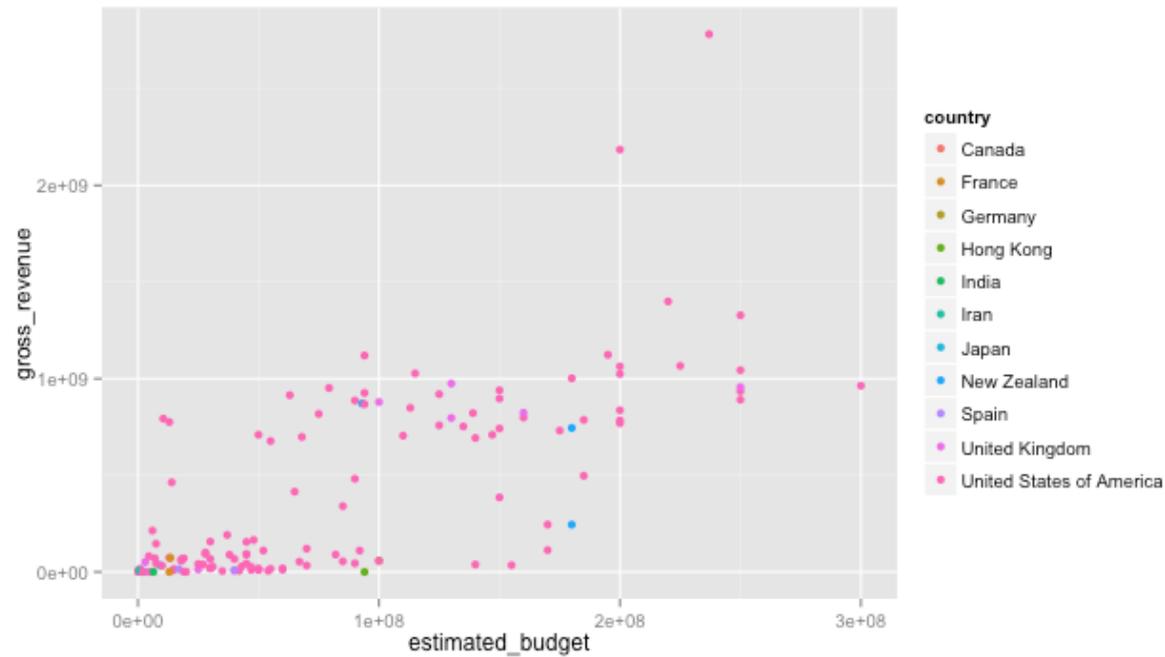
Paramètres géométriques

- Les fonctions `geom_*` possèdent des paramètres optionnels (voici les principaux) :
 - `data` : données brutes à représenter,
 - `mapping` : projection graphique à employer,
 - `stat` : transformation statistique,
 - `position` : des positions pour éviter le chevauchement ;
- Lorsque ces paramètres sont omis, les valeurs automatiquement attribuées sont héritées de celles de `ggplot()`.

Points

- Nous l'avons déjà employée, la `geom_point()` permet de faire des nuages de points.

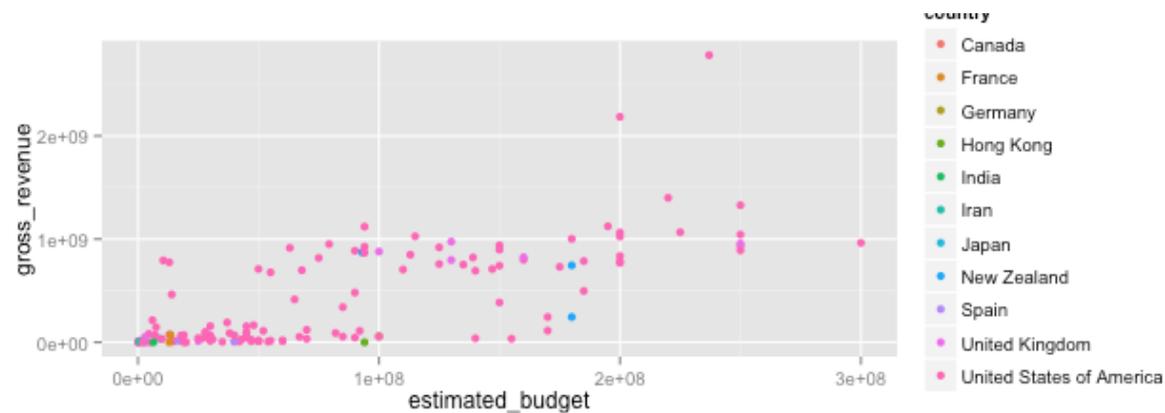
```
ggplot(data = films,  
       aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue, col = country)) +  
  geom_point()
```



Points

- Pour tracer les points, il est nécessaire de préciser les données brutes et le mapping ;
- On l'a fait lors de l'appel de `ggplot()` ;
- Il est également possible de le faire lors de l'appel de `geom_point()` ;
- Attention à bien mettre `data = !`

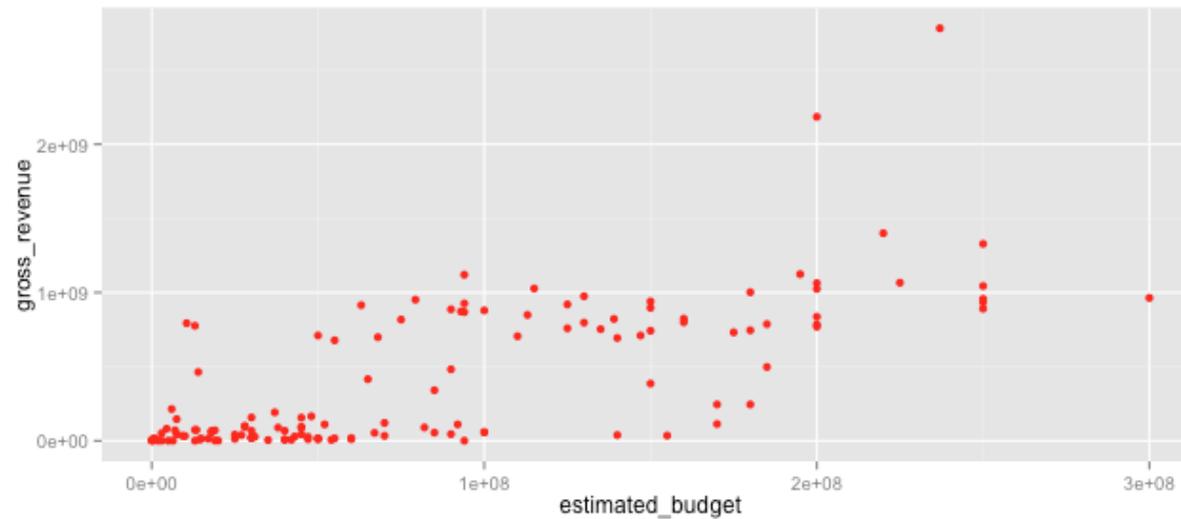
```
ggplot() +  
  geom_point(data = films,  
            aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue, col = country))
```



Points

- Attention, pour que tous les points aient la même couleur, il faut que le paramètre esthétique `colour` soit fourni à `geom_point()` et non pas à `ggplot()` !

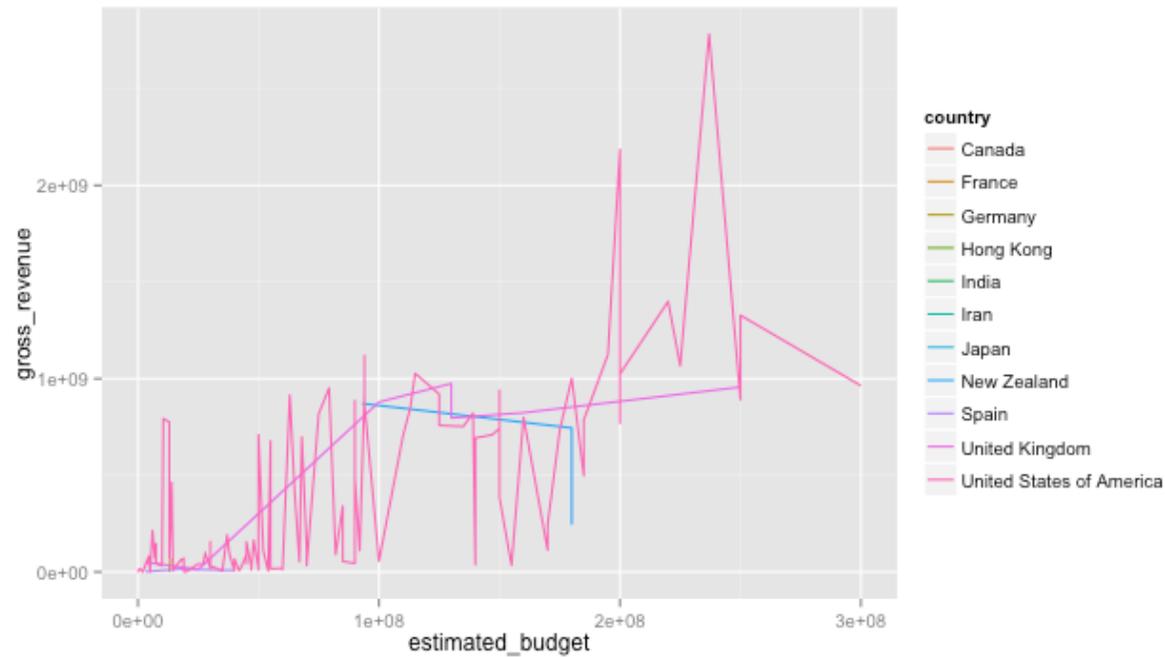
```
ggplot(data = films,  
       aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue)) +  
  geom_point(colour = "red")
```



Lignes

- Si on souhaite joindre les points, on peut utiliser `geom_line()` ;

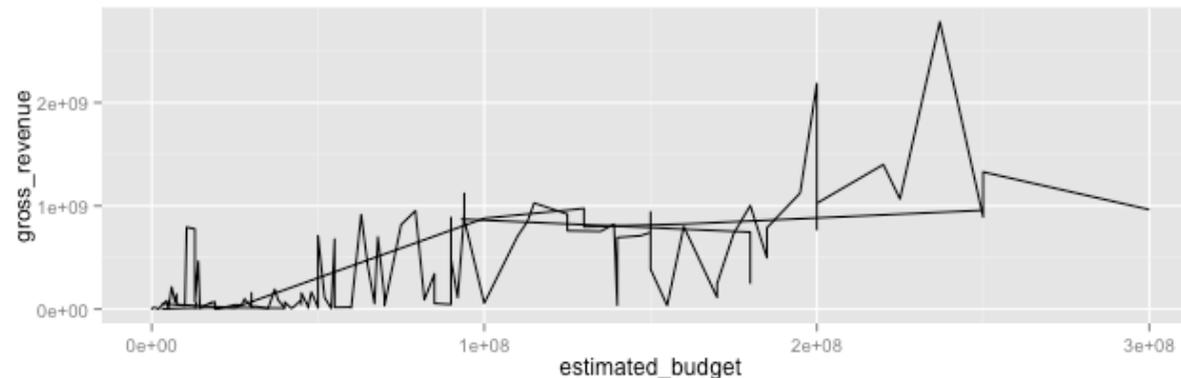
```
ggplot(data = films,  
       aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue, col = country)) +  
  geom_line()
```



Lignes

- Le fait d'ajouter l'esthétique `colour` qui dépend d'une variable facteur du `data.frame` créé automatiquement des groupes ;
- Si on souhaite conserver les groupes, mais ne pas proposer différentes couleurs, on peut utiliser le paramètre `group` :

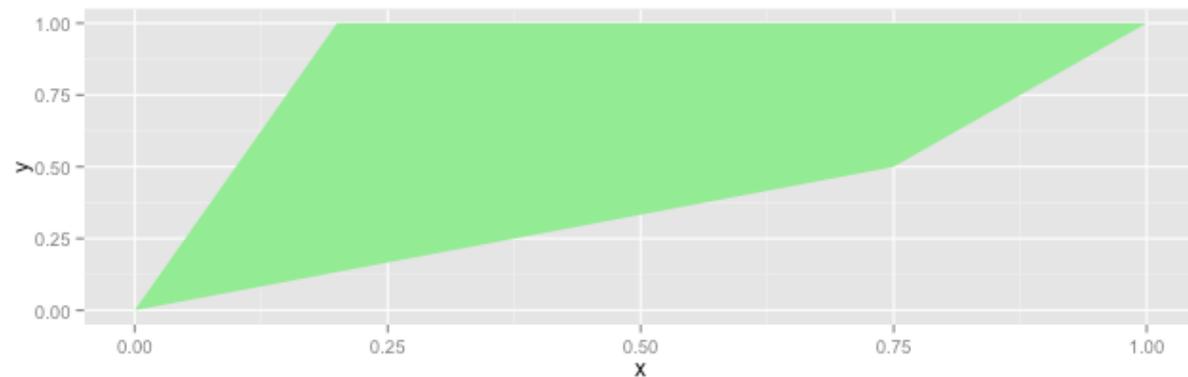
```
ggplot(data = films,  
       aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue, group = country)) +  
  geom_line()
```



Polygones

- Les polygones se tracent à l'aide de `geom_polygon()` ;
- Les coordonnées doivent être rangées dans le sens indirect ;
- Dans la plupart des fonctions utilisant des polygones, la première et la dernières observations doivent être identiques, pour permettre de fermer le polygone ;
- Ce n'est pas obligatoire avec `ggplot2`.

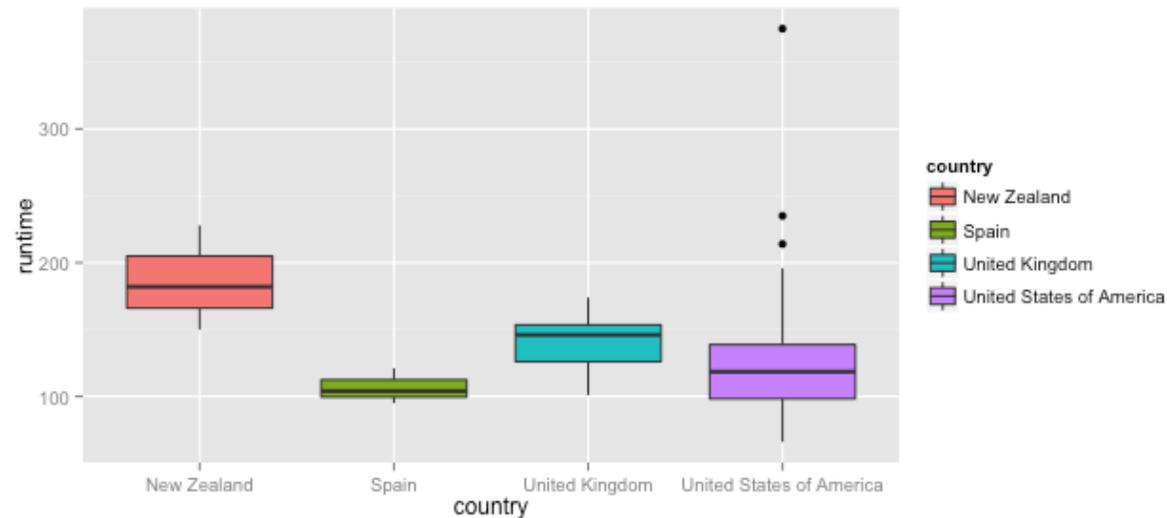
```
df <- data.frame(x = c(0, 0.2, 1, 0.75), y = c(0, 1, 1, 0.5))  
ggplot() + geom_polygon(data = df, aes(x = x, y = y), fill = "light green")
```



Boxplot

- Les boîtes à moustaches sont réalisées avec `geom_boxplot()`

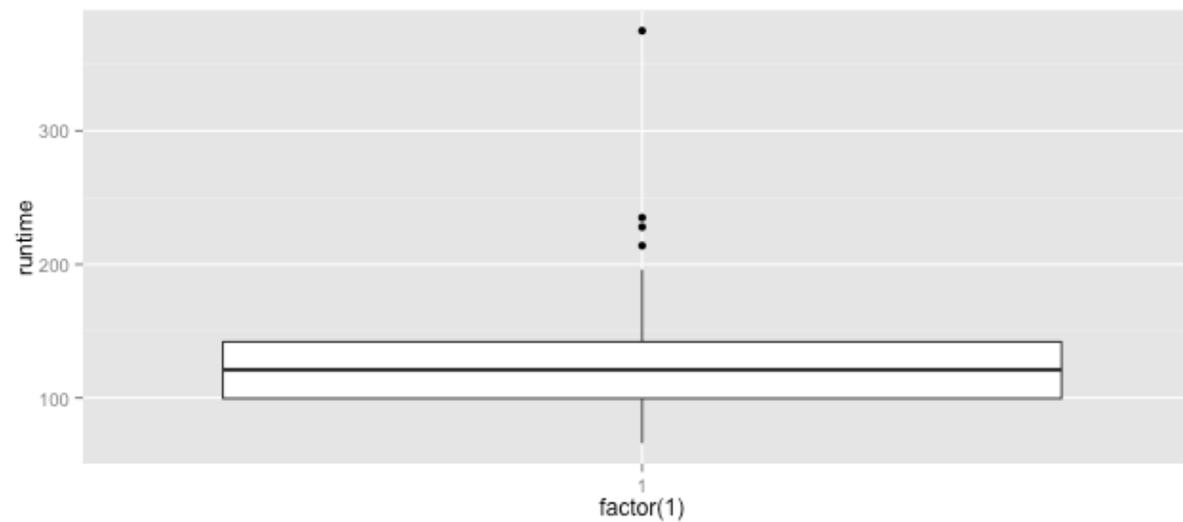
```
ggplot(data = films_reduit, aes(x = country, y = runtime, fill = country)) +  
  geom_boxplot()
```



Boxplot

- Pour afficher le boxplot d'une seule variable, il faut "tricher" ;
- On fournit une variable facteur à une modalité à l'esthétique **x** :

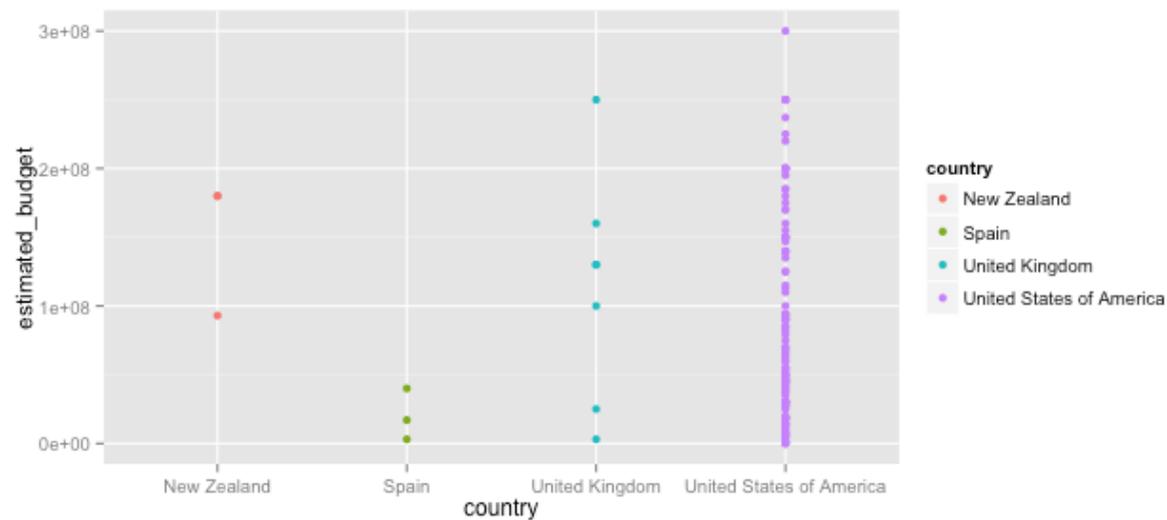
```
ggplot(data = films_reduit, aes(x = factor(1), y = runtime)) + geom_boxplot()
```



Gigue

- Quand on a des points entassés, il est possible de les placer côte-à-côte pour faciliter la visualisation ;

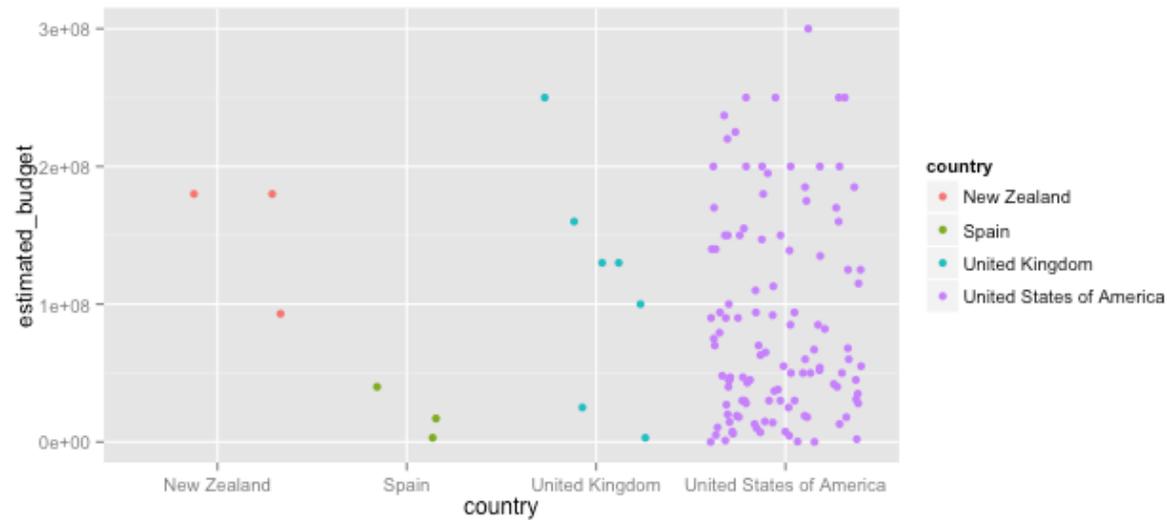
```
ggplot(data = films_reduit, aes(x = country, y = estimated_budget, col = country)) +  
  geom_point()
```



Gigue

- Pour ce faire, on utilise `geom_jitter()`

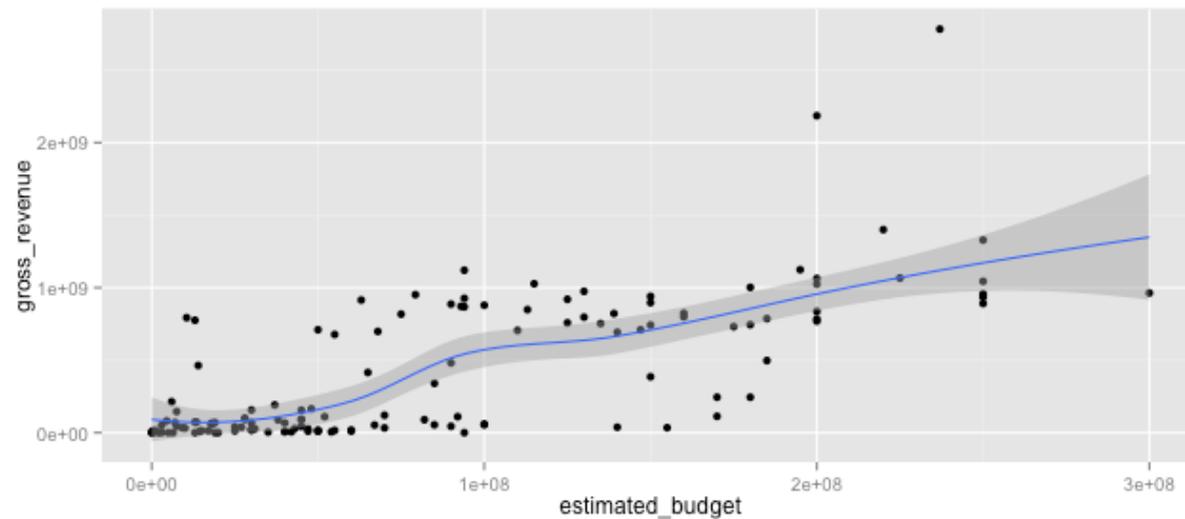
```
ggplot(data = films_reduit, aes(x = country, y = estimated_budget, col = country)) +  
  geom_jitter()
```



Courbe de tendance

- L'ajout d'une courbe de tendance peut se faire de plusieurs façons ;
- Par exemple, on peut utiliser `geom_smooth()` :

```
ggplot(data = films, aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue)) +  
  geom_point() + geom_smooth()
```



Courbe de tendance

- On vient de voir qu'il est possible d'ajouter facilement une autre couche ;
- Il suffit d'appeler une autre fonction `geom_*()` !

```
ggplot() + layer_1 + layer_2 + ...
```

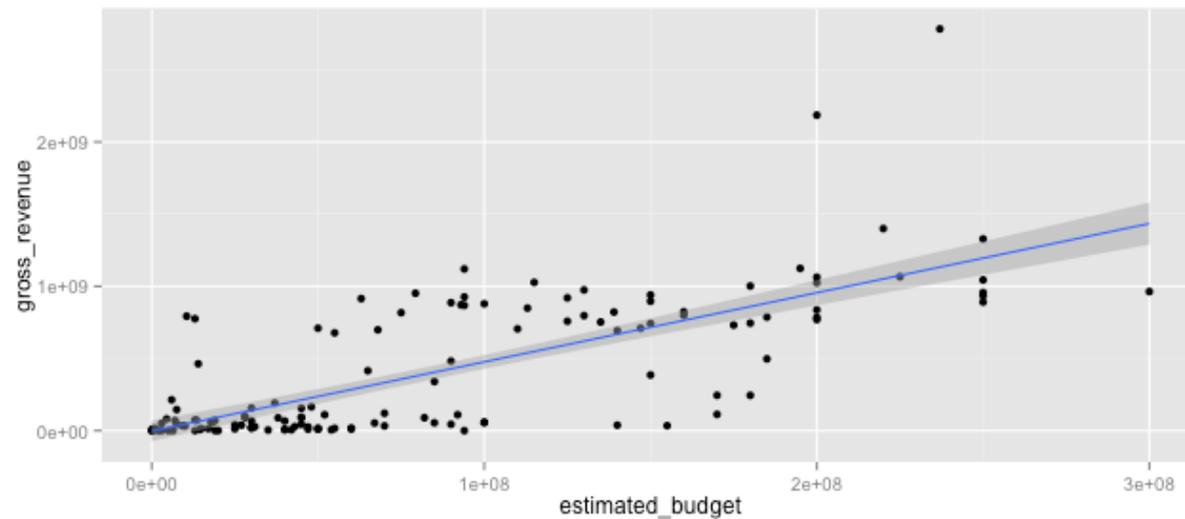
Courbe de tendance

- Le paramètre le plus important de `geom_smooth()` est `method` ;
- Il gère le type de lissage à utiliser (`lm`, `glm`, `gam`, `loess`, `rlm`) ;
- Par défaut, si les données sont moins de 1000, `loess` est utilisé, sinon, `gam` est employé ;
- Au besoin, la formule à utiliser pour le lissage se paramètre avec `formula` ;
- Il est possible de ne pas afficher les intervalles de confiance (`se=FALSE`) ;
- Le niveau des intervalles de confiance peut être changé via `level` ;
- Voir l'aide de la fonction `stat_smooth()` pour plus de détails.

Courbe de tendance

Par exemple, avec un lissage par régression linéaire, avec des intervalles de confiance de prévision à 90% :

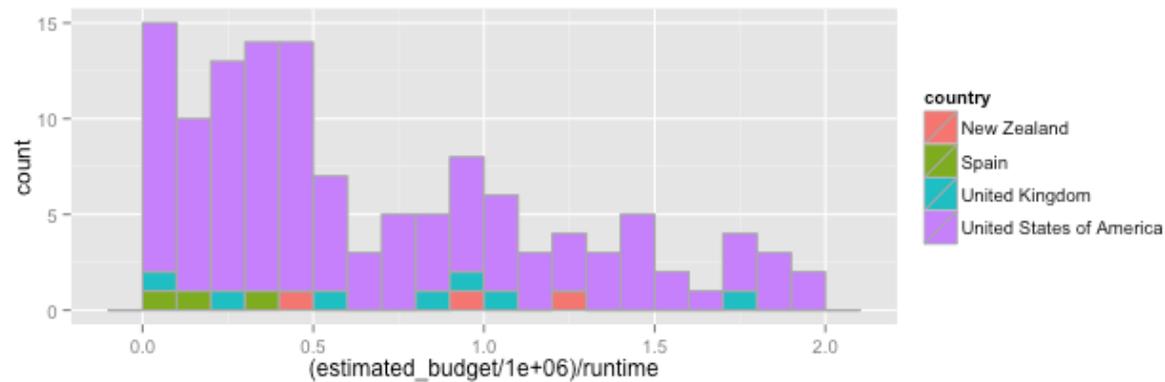
```
ggplot(data = films, aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue)) +  
  geom_point() + stat_smooth(method = "lm", level = 0.9)
```



Histogramme

- Les histogrammes se font avec `geom_histogram()` ;
- On peut choisir la fenêtre via le paramètre `binwidth` ;
- La fenêtre par défaut est 1/30 de l'étendue.

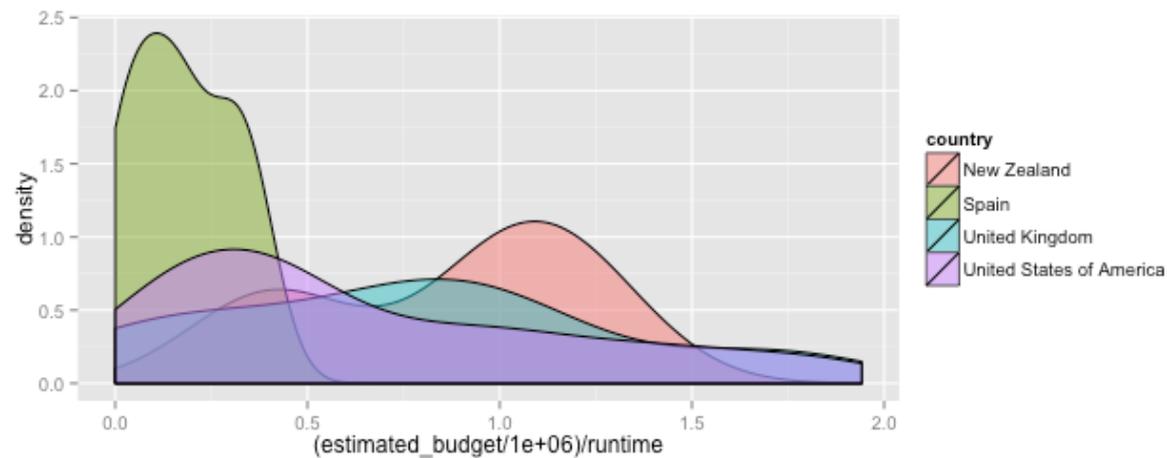
```
ggplot(data = films_reduit,  
       aes(x = (estimated_budget/1000000)/runtime,  
           fill = country)) +  
geom_histogram(binwidth = 0.1, colour = "dark grey")
```



Densité

- Une estimation de la densité, avec un noyau gaussien, s'effectue avec `geom_density()` ;
- Le noyau peut être changé via le paramètre `kernel` ;
- La page d'aide `?stat_density` fournit plus de détails.

```
ggplot(data = films_reduit,  
       aes(x = (estimated_budget/1000000)/runtime,  
           fill = country)) +  
  geom_density(colour = "black", alpha = .5)
```



Exercices

À partir du jeu de données `diamonds` :

1. Créer le `data.frame diamonds_s`, un échantillon de `diamonds` de taille $n = 1000$
2. Représenter le nuage de points du prix (`price`) en fonction de la masse (`carat`), afficher les points en rouge ;
3. Reprendre le graph de la question 2. en colorant les points en fonction de la coupe (`cut`) ;
4. Afficher l'histogramme des masses des diamants (`carat`), avec une fenêtre de 0.05 ;
5. Afficher les boîtes à moustaches de la masse (`carat`) pour chaque coupe (`cut`).

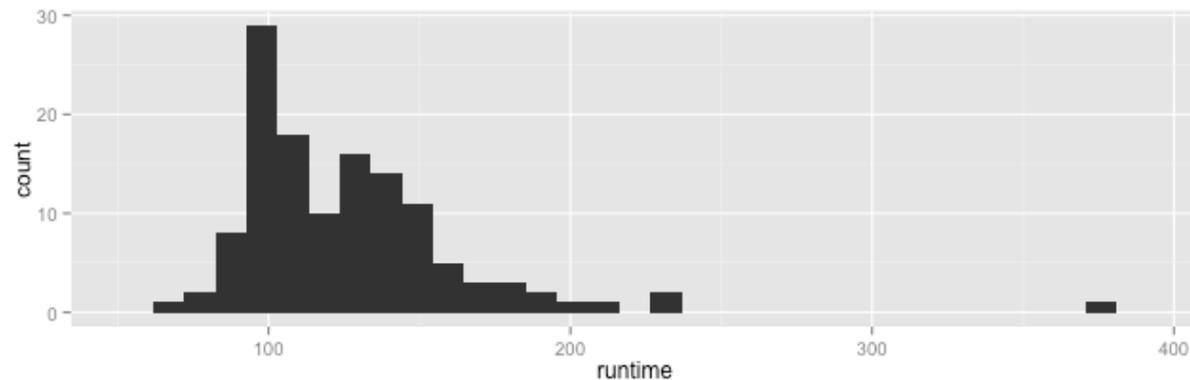
Fonctions statistiques

- Les fonctions `geom_*()` s'appuient, pour certaines, sur des fonctions `stat_*()` ;
- Ces fonctions permettent d'effectuer des opérations statistiques sur les données brutes ;
- Des variables sont créées lors de l'appel à ces fonctions ;
- On peut accéder à ces variables... à condition de connaître leur nom !

Fonctions statistiques

- Par exemple, pour produire un histogramme, la fonction `geom_histogram()` s'appuie sur `stat_bin()` ;
- La fonction `stat_bin()` crée et retourne (entre autres) :
 - la variable `count`, qui indique le nombre d'observations pour chaque intervalle,
 - la variable `density`, qui donne une estimation de la densité de points dans chaque classe (avec mise à l'échelle pour que l'intégrale vaille 1 sur le support).

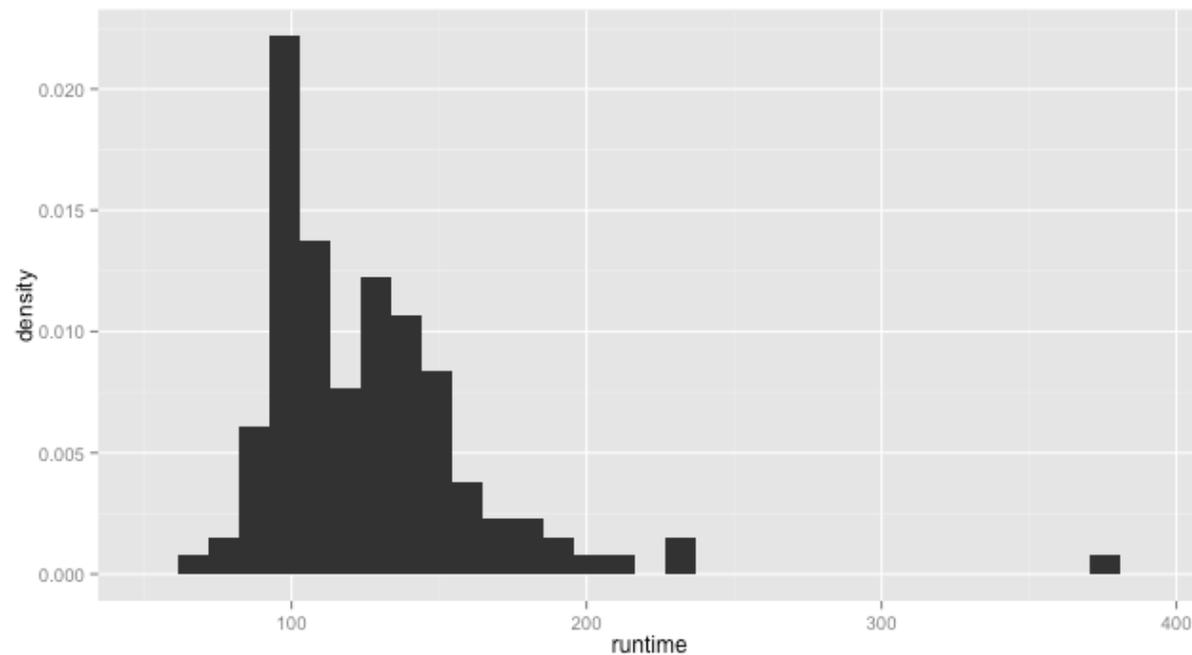
```
ggplot(data = films_reduit, aes(x = runtime)) + geom_histogram()
```



Fonctions statistiques

- Si on désire afficher une estimation de la densité, plutôt que le nombre d'observations :
 - on va chercher la variable `density` retournée par `stat_bin()`, en entourant son nom de `".."` :

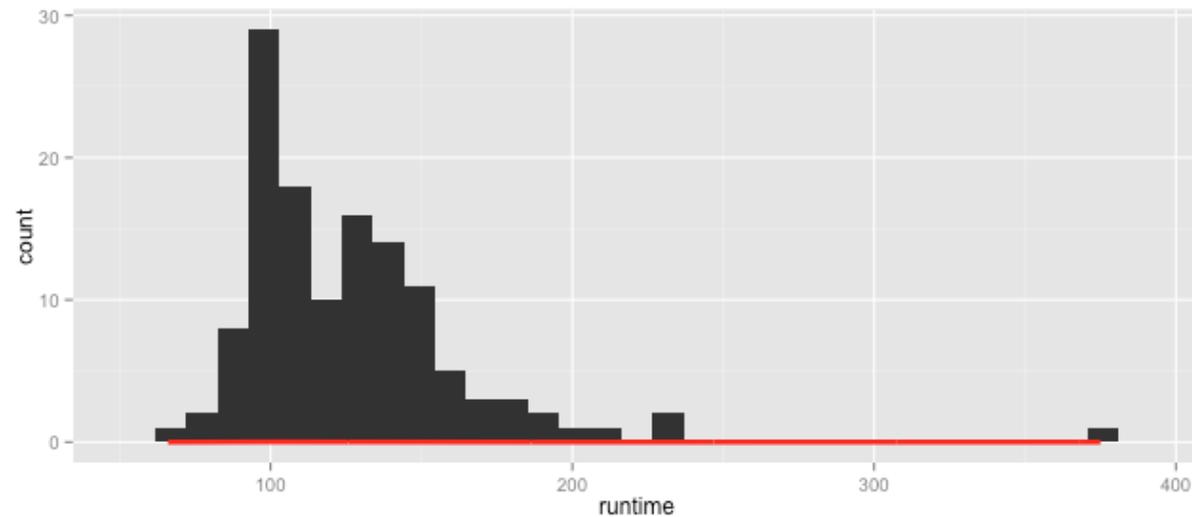
```
ggplot(data = films_reduit, aes(x = runtime)) + geom_histogram(aes(y = ..density..))
```



Fonctions statistiques

- L'ajout d'une courbe de densité sur un histogramme se fait en additionnant deux couches ;
- En faisant (silencieusement) appel à la fonction `stat_bin()` ;
- Et en appelant la fonction `stat_density()` :

```
p <- ggplot(data = films_reduit, aes(x = runtime))  
p + geom_histogram() + geom_line(stat="density", col = "red", size = 1.2)
```

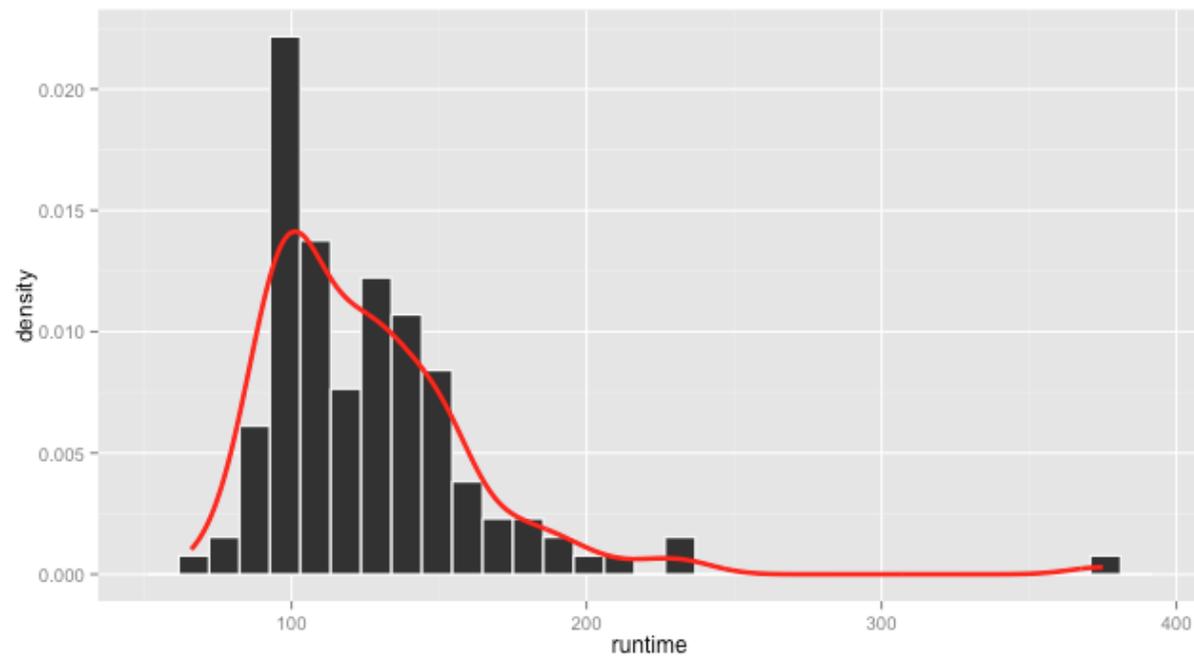


Fonctions statistiques

- Mais les valeurs de l'axe des ordonnées sont celles retournées par `stat_bin()` et `stat_density()` !
- On observe donc une densité toute plate.
- Il suffit alors de changer le mapping du paramètre esthétique `y` :
 - `y = ..density..` ;
- La valeur utilisée pour l'axe des `y` sera donc la densité plutôt que le comptage.

Fonctions statistiques

```
p <- ggplot(data = films_reduit, aes(x = runtime, y = ..density..))  
p + geom_histogram(colour = "white") +  
  geom_line(stat="density", col = "red", size = 1.2)
```



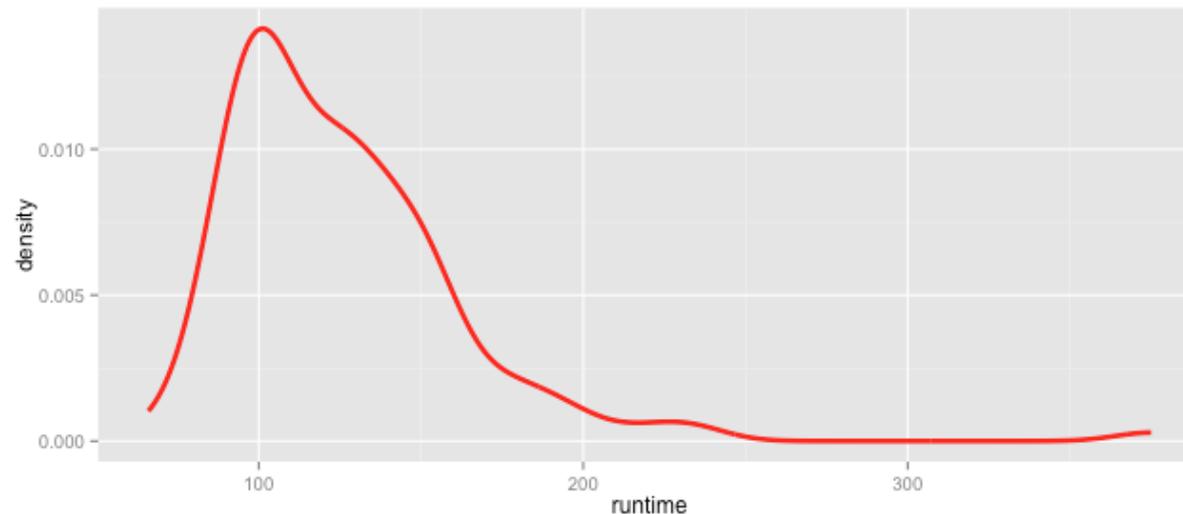
Fonctions statistiques

FONCTION	DESCRIPTION
<code>stat_bin()</code>	répartition des données en classes
<code>stat_contour()</code>	calculer les contours des données en 3d
<code>stat_density()</code>	estimation de densité 1d par la méthode du noyau
<code>stat_density2d()</code>	estimation de densité 2d
<code>stat_identity()</code>	ne transforme pas les données
<code>stat_qq()</code>	qqplot (droite de Henry)
<code>stat_quantile()</code>	quantiles continus
<code>stat_smooth()</code>	lissage
<code>stat_sum()</code>	somme les valeurs uniques
<code>stat_summary()</code>	appliquer une fonction pour faire des summaries sur les valeurs de y
<code>stat_unique()</code>	retire les valeurs dupliquées

Fonctions statistiques

- Les fonctions principales de type `stat_*()` peuvent être :
 - appelées directement,
 - appelées via le paramètre `stat` d'une fonction `geom_*()`, en fournissant le suffixe.

```
ggplot(data = films_reduit, aes(x = runtime, y = ..density..)) +  
  geom_line(stat="density", col = "red", size = 1.2)
```



Exercices

1. Afficher l'histogramme des masses des diamants (`carat` dans le `data.frame diamonds`);
2. Afficher une estimation de la densité de la masse des diamants ;
3. Faire figurer sur un même graphique une visualisation de la répartition des masses de diamants, ainsi qu'une estimation de la densité.

Les fonctions d'échelles

- Les fonctions `scale_*()` permettent de **définir** et **contrôler** le mapping entre les données et les attributs esthétiques ;
- Chaque paramètre esthétique possède son échelle et sa fonction `scale_*()` ;
- On peut décomposer les échelles en 4 catégories :
 - échelles de position,
 - échelles de couleur,
 - échelles manuelles discrètes,
 - identity (pas de mise à l'échelle).

Les fonctions d'échelles

Le lien est donc fait entre :

- Le **domaine** : l'espace de données. Si les données sont
 - discrètes (facteurs, logiques, chaînes de caractères) : le domaine correspond à une énumération des valeurs possibles,
 - continues (numérique) : le domaine est un intervalle ;
- La **gamme** : l'espace des esthétiques. La gamme est :
 - discrète quand le domaine est discret, et constituée des valeurs correspondantes aux valeurs des données d'input,
 - continue quand le domaine est continu, et fournit alors un chemin indiquant comment passer d'une valeur à l'autre.

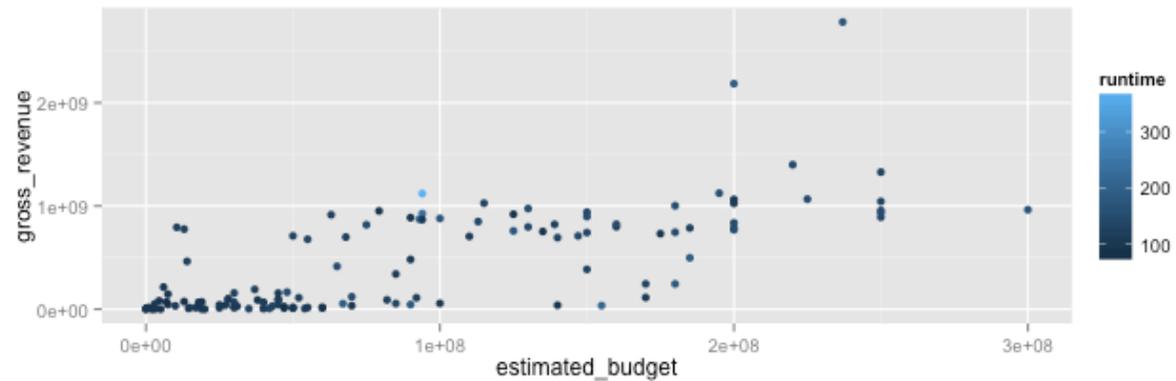
Les fonctions d'échelles

- Les échelles sont automatiquement créées lors de la création du graphique ;
- On peut les modifier avec les fonctions `scale_*()` ;
- Pour cela, il faut en ajouter une nouvelle, en couche supplémentaire ;
- Le nom des échelles est composé de deux ou trois parties :
 - le préfixe `scale_`,
 - le nom de l'esthétique,
 - le nom de l'échelle à utiliser.
- Exemple : pour changer l'échelle qui gère la couleur, en présence d'une variable continue dont dépend la couleur : `scale_colour_gradient()`

Les fonctions d'échelles

- Le graphique de base

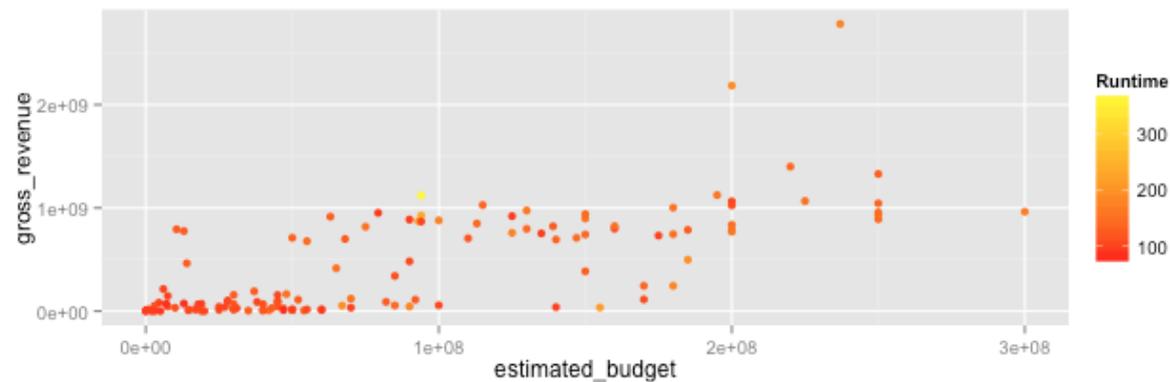
```
p <- ggplot(data = films_reduit, aes(x = estimated_budget,  
                                     y = gross_revenue, colour = runtime)) +  
  geom_point()  
p
```



Les fonctions d'échelles

- Changer l'échelle de couleur pour que :
 - les films les plus courts soient en jaunes,
 - les films les plus longs en rouge,
 - le tout en dégradé,
 - tout en changeant le titre de la légende.

```
p + scale_colour_gradient(name = "Runtime", low = "#FF0000", high = "#FFFF00")
```



Les fonctions d'échelles

ESTHÉTIQUE	VARIABLE DISCRÈTE	VARIABLE CONTINUE
Transparence (alpha)	<code>scale_alpha_discrete()</code>	<code>scale_alpha_continuous()</code>
	<code>scale_alpha_manual()</code>	
	<code>scale_alpha_identity()</code>	<code>scale_alpha_identity()</code>
Couleur (colour)	<code>scale_colour_discrete()</code>	<code>scale_colour_continuous()</code>
	<code>scale_colour_brewer()</code>	<code>scale_colour_dilstiller()</code>
	<code>scale_colour_grey()</code>	<code>scale_colour_gradient()</code>
	<code>scale_colour_hue()</code>	<code>scale_colour_gradient2()</code>
	<code>scale_colour_manual()</code>	<code>scale_colour_gradientn()</code>
	<code>scale_colour_identity()</code>	<code>scale_colour_identity()</code>

Les fonctions d'échelles

ESTHÉTIQUE	VARIABLE DISCRÈTE	VARIABLE CONTINUE
Remplissage (fill)	<code>scale_fill_discrete()</code>	<code>scale_fill_continuous()</code>
	<code>scale_fill_brewer()</code>	<code>scale_fill_distiller()</code>
	<code>scale_fill_grey()</code>	<code>scale_fill_gradient()</code>
	<code>scale_fill_hue()</code>	<code>scale_fill_gradient2()</code>
	<code>scale_fill_manual()</code>	<code>scale_fill_gradientn()</code>
	<code>scale_fill_identity()</code>	<code>scale_fill_identity()</code>
Type de ligne (linetype)	<code>scale_linetype_discrete()</code>	<code>scale_linetype_continuous()</code>
	<code>scale_linetype_manual()</code>	
	<code>scale_linetype_identity()</code>	<code>scale_linetype_identity()</code>
Forme	<code>scale_shape_discrete()</code>	<code>scale_shape_continuous()</code>
	<code>scale_shape_manual()</code>	
	<code>scale_shape_identity()</code>	<code>scale_shape_identity()</code>

Les fonctions d'échelles

ESTHÉTIQUE	VARIABLE DISCRÈTE	VARIABLE CONTINUE
Taille (size)	<code>scale_size_discrete()</code>	<code>scale_size_continuous()</code>
	<code>scale_size_manual()</code>	<code>scale_size_area()</code>
	<code>scale_size_identity()</code>	<code>scale_size_identity()</code>
Position (x, y)	<code>scale_x_discrete()</code>	<code>scale_x_continuous()</code>
	<code>scale_y_discrete()</code>	<code>scale_y_continuous()</code>
		<code>scale_x_date()</code>
		<code>scale_y_date()</code>
		<code>scale_x_datetime()</code>
		<code>scale_y_datetime()</code>
		<code>scale_x_log10()</code>
		<code>scale_y_log10()</code>
		<code>scale_x_reverse()</code>
		<code>scale_y_reverse()</code>
		<code>scale_x_sqrt()</code>
		<code>scale_y_sqrt()</code>

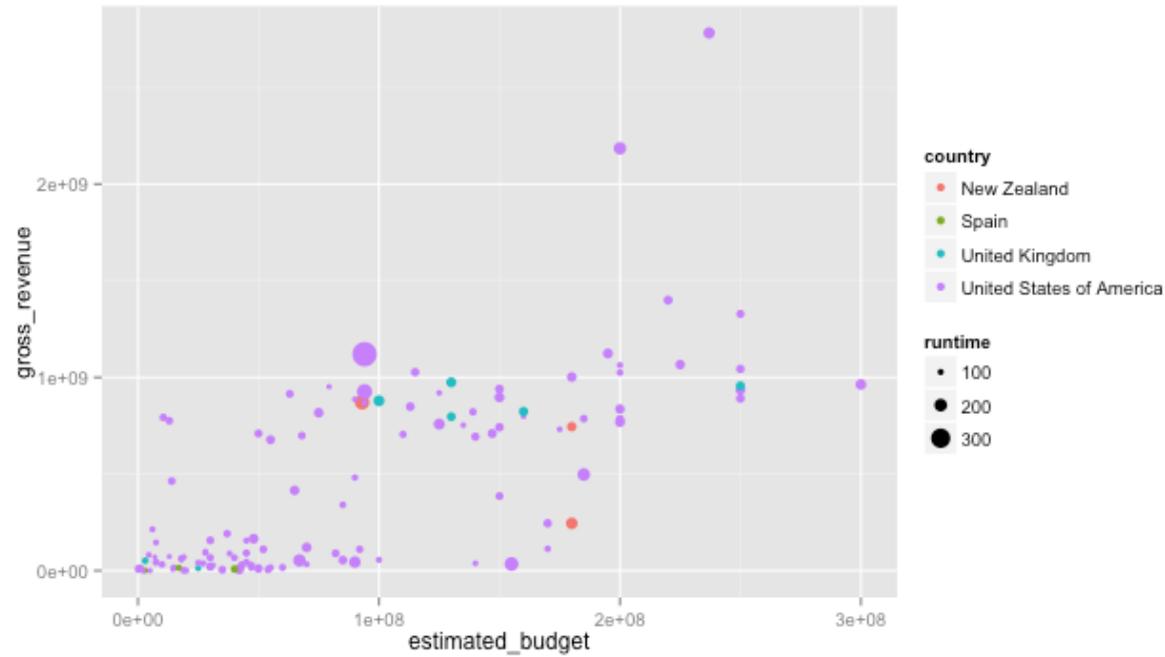
Les fonctions d'échelles

- Revenu en fonction du budget ;
- Taille et couleur des points : dépend du revenu et de la longueur, resp. ;
- Couleur : dépend d'une variable discrète ;
- Taille : dépend d'une variable continue.

```
p <- ggplot(data = films_reduit, aes(x = estimated_budget,  
                                     y = gross_revenue,  
                                     colour = country,  
                                     size = runtime)) +  
  
geom_point()
```

Les fonctions d'échelles

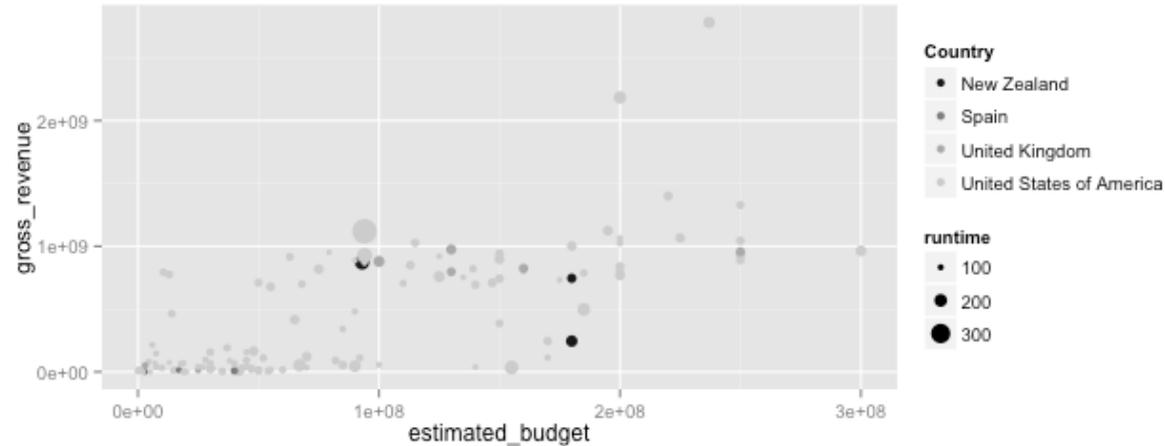
p



Les fonctions d'échelles

- Dégradé de gris pour la couleur ;
- Valeurs manquantes en orange ;
- Modification du titre de la légende.

```
p + scale_colour_grey(name = "Country", start = .1, end = .8,  
                      na.value = "orange")
```



Les fonctions d'échelles

- Définissons nous-même la couleur pour chaque pays ;
- Si on souhaite en plus afficher un nom différent, il faut faire attention à bien effectuer le matching... ;
- La variable "country" est transformée en facteur ;
- L'ordre est alphabétique (mais peut être changé avec la fonction `order()`)

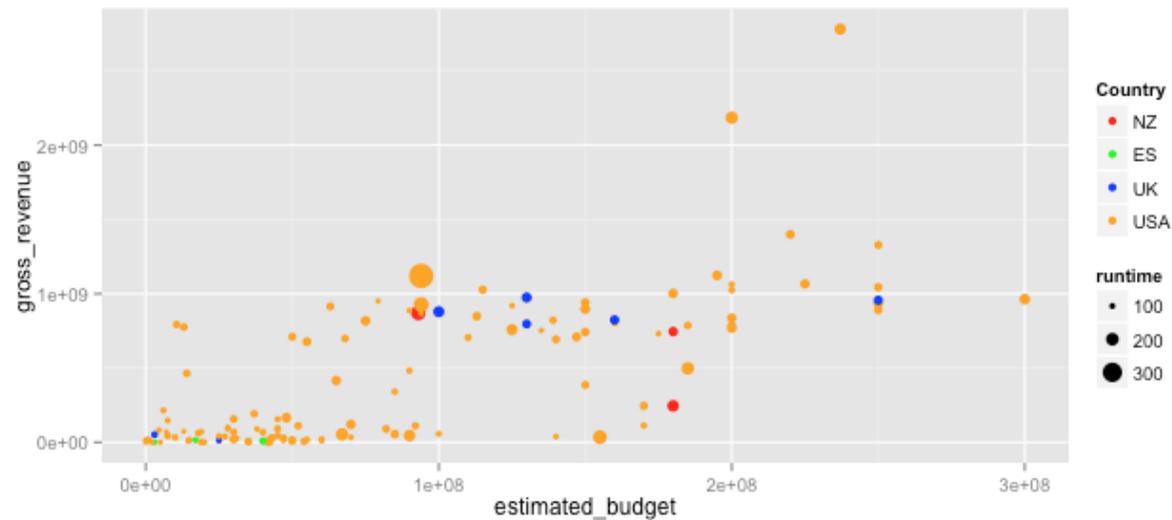
```
levels(factor(films_reduit$country))
```

```
## [1] "New Zealand"      "Spain"  
## [3] "United Kingdom"   "United States of America"
```

Les fonctions d'échelles

- Une première solution :

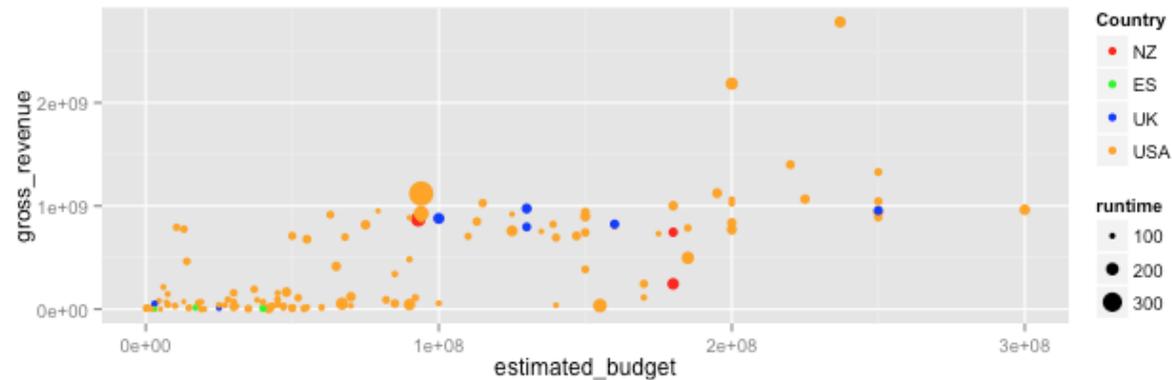
```
p + scale_colour_manual(name = "Country",  
                        values = c("red", "green", "blue", "orange"),  
                        labels = c("NZ", "ES", "UK", "USA"))
```



Les fonctions d'échelles

- Une seconde solution, plus sûre...

```
(p <- p + scale_colour_manual(name = "Country",  
                             values = c("Spain" = "green", "New Zealand" = "red",  
                                       "United States of America" = "orange",  
                                       "United Kingdom" = "blue"),  
                             labels = c("Spain" = "ES", "New Zealand" = "NZ",  
                                       "United States of America" = "USA",  
                                       "United Kingdom" = "UK")))
```



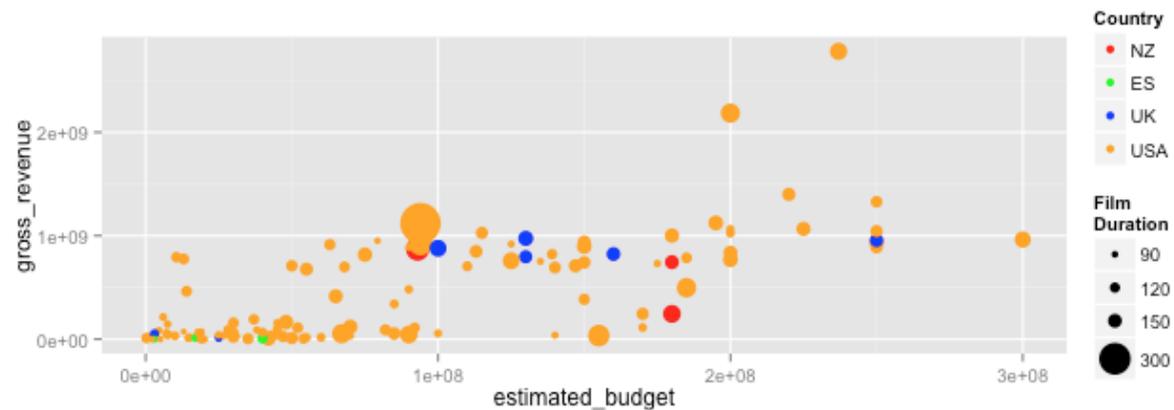
Les fonctions d'échelles

- Changeons également la taille des points.

```
range(films_reduit$runtime)
```

```
## [1] 66 375
```

```
p + scale_size_continuous(name = "Film\nDuration",  
                           breaks = c(0, 60, 90, 120, 150, 300, Inf),  
                           range = c(1,10))
```

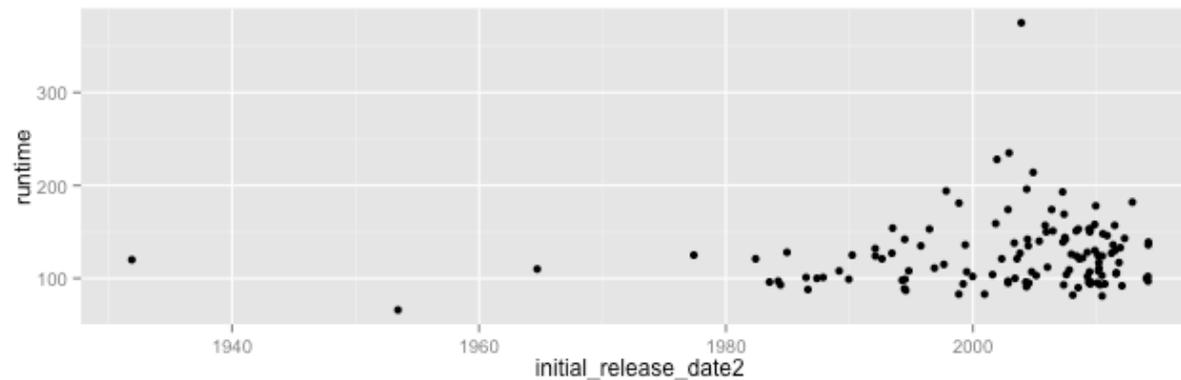


Les fonctions d'échelles

- Un autre graphique, avec des dates en abscisses

```
films_reduit$initial_release_date2 <- as.Date(films_reduit$initial_release_date)
(p_2 <- ggplot(data = films_reduit,
              aes(x = initial_release_date2, y = runtime)) +
  geom_point())
```

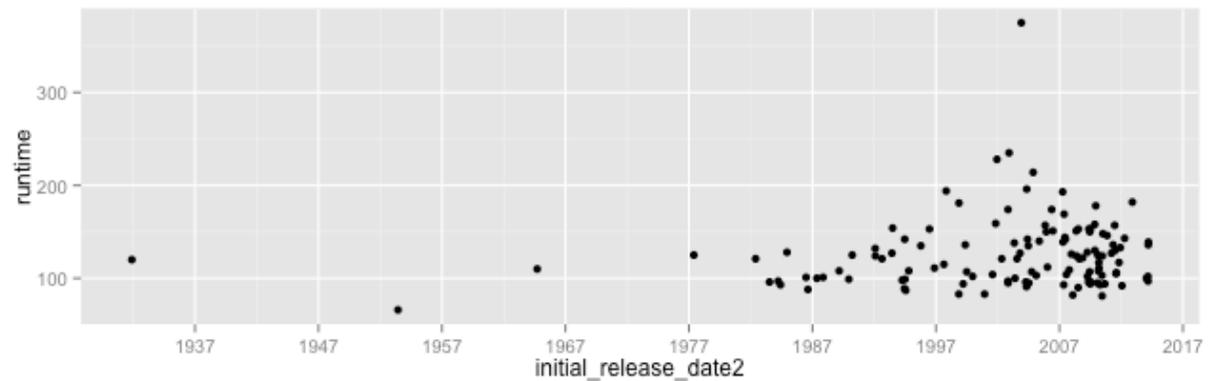
```
## Warning: Removed 3 rows containing missing values (geom_point).
```



Les fonctions d'échelles

- La fonction `scale_x_date()` est pratique pour gérer les affichages des étiquettes des marques.

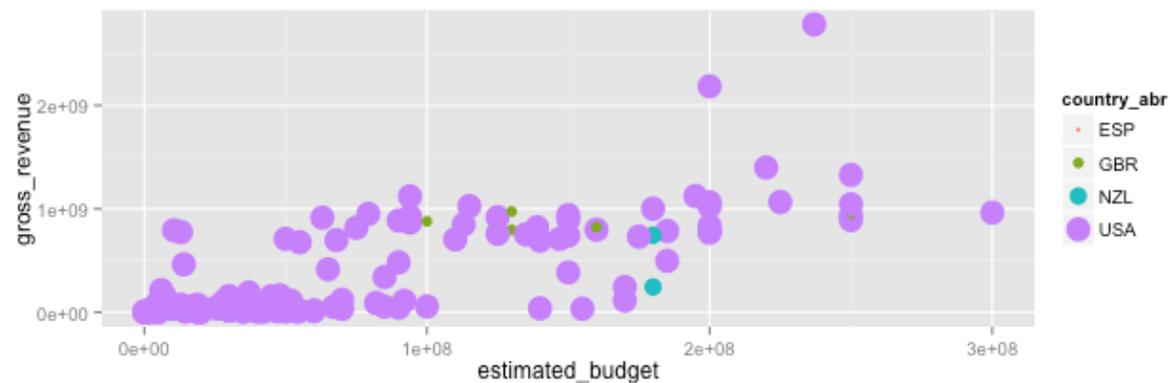
```
library(scales)
p_2 + scale_x_date(breaks = date_breaks("10 year"), labels = date_format("%Y"))
```



Les fonctions d'échelles

- `ggplot2` essaie de combiner les légendes autant que possible ;
- Par exemple, deux esthétiques de couleur et de forme concernant une même variable seront regroupés pour la légende, au lieu d'avoir deux légendes ;
- Si on modifie une légende, pour que l'autre le soit aussi, il faut impérativement conserver le même nom !

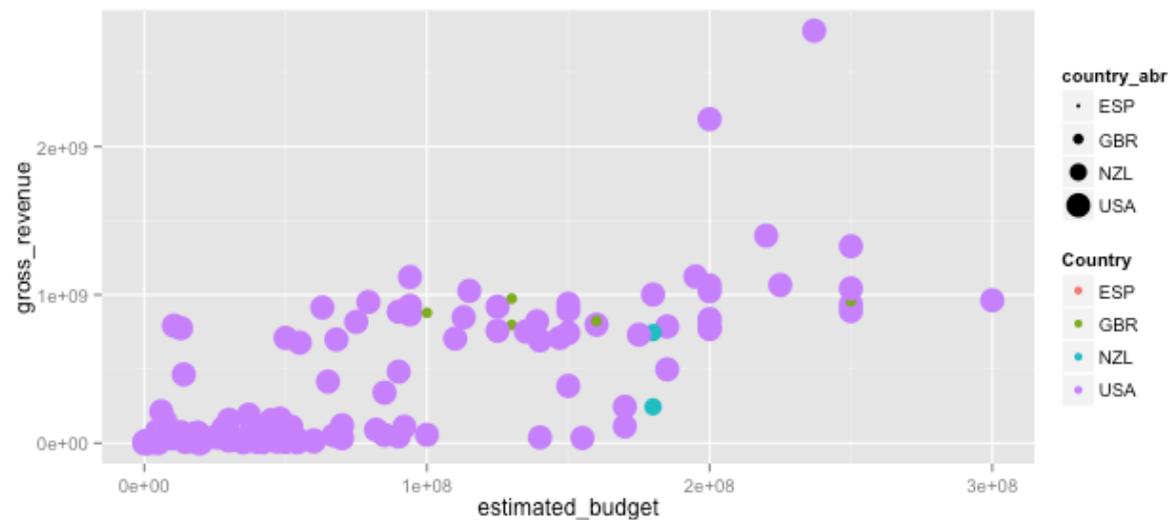
```
(p <- ggplot(data = films_reduit, aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue,  
                                     colour = country_abr, size = country_abr)) +  
  geom_point())
```



Les fonctions d'échelles

- Dans cet exemple, si on change le nom de l'échelle concernant la couleur, sans modifier celle de la taille : deux légendes apparaissent.

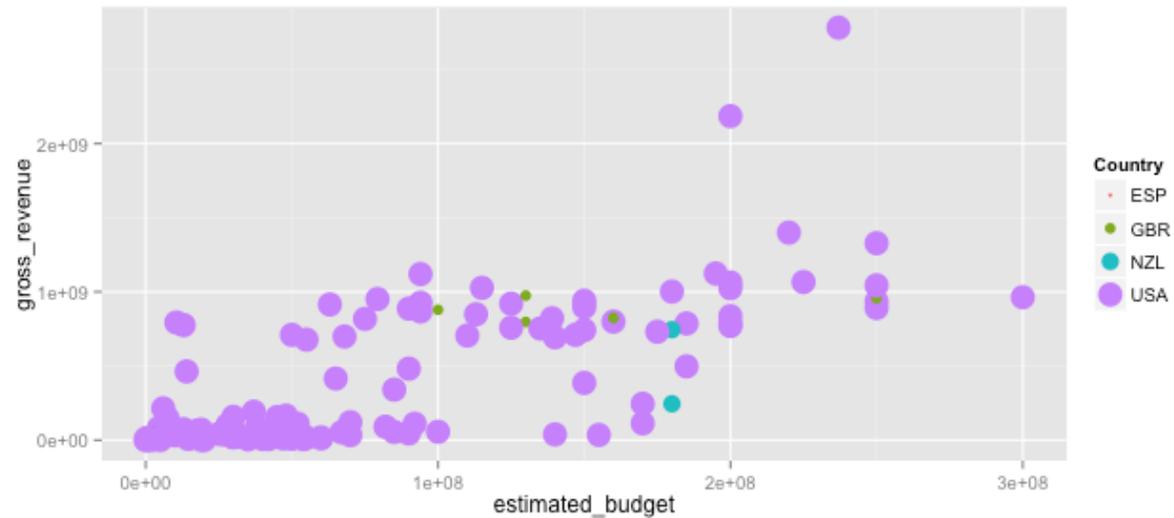
```
p + scale_colour_discrete(name = "Country")
```



Les fonctions d'échelles

- On peut rétablir une seule échelle en donnant le même nom aux échelles.

```
p + scale_colour_discrete(name = "Country") +  
  scale_size_discrete(name = "Country")
```



Exercices

1. Afficher un nuage de points de la masse des diamants (`carat`) en fonction du prix associé (`price`);
2. Reprendre ce graphique et faire dépendre la couleur des points de la qualité de la coupe (`cut`);
3. Changer le nom de la légende en "Qualité de la coupe" ;
4. Indiquer la traduction française dans la légende, plutôt que le terme anglais ;
5. Changer les couleurs par défaut des points pour 5 couleurs de votre choix.

Groupes

- `ggplot2` effectue des regroupements automatiquement dans de nombreux cas ;
- C'est le cas quand un paramètre esthétique de couleur ou de remplissage est basé sur une variable facteur ;
- Les groupes s'effectuent en fonction des interactions des variables qualitatives d'un graphique ;
- On peut vouloir définir soi-même les groupes, via le paramètre `group`.

```
library(reshape2)
df <- data.frame(year = rep(1949:1960, each = 12), month = rep(1:12, 12),
passengers = c(AirPassengers))
```

Groupes

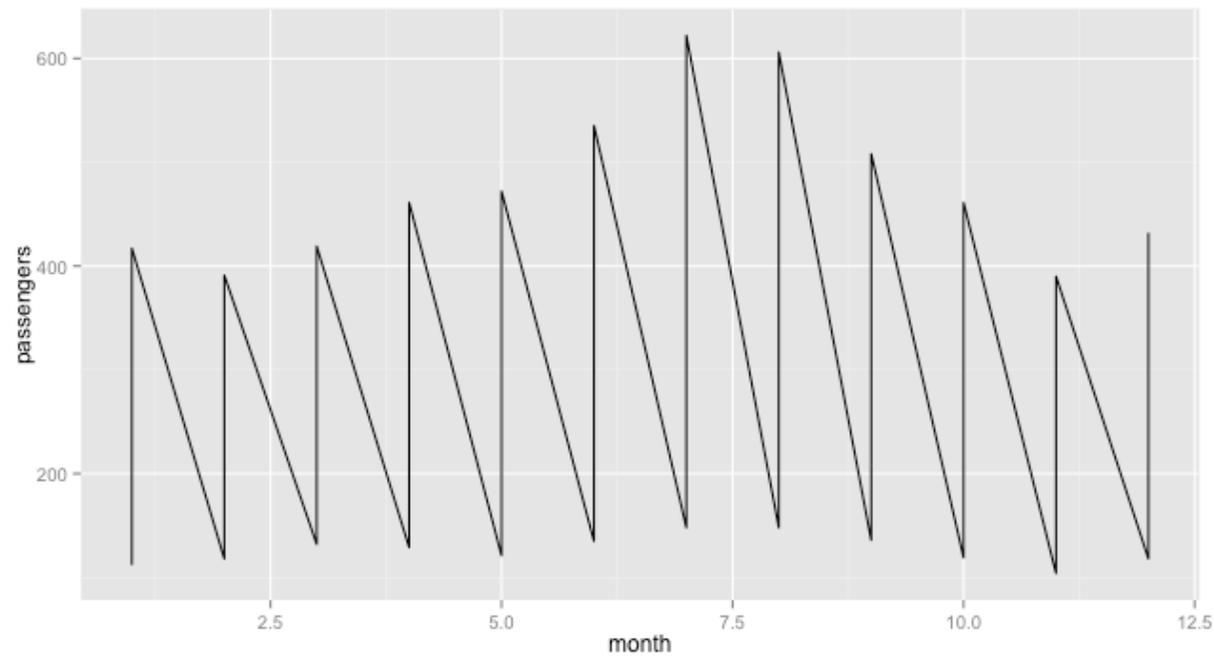
```
head(df)
```

```
##   year month passengers
## 1 1949     1         112
## 2 1949     2         118
## 3 1949     3         132
## 4 1949     4         129
## 5 1949     5         121
## 6 1949     6         135
```

Groupes

- Sans préciser de groupes :

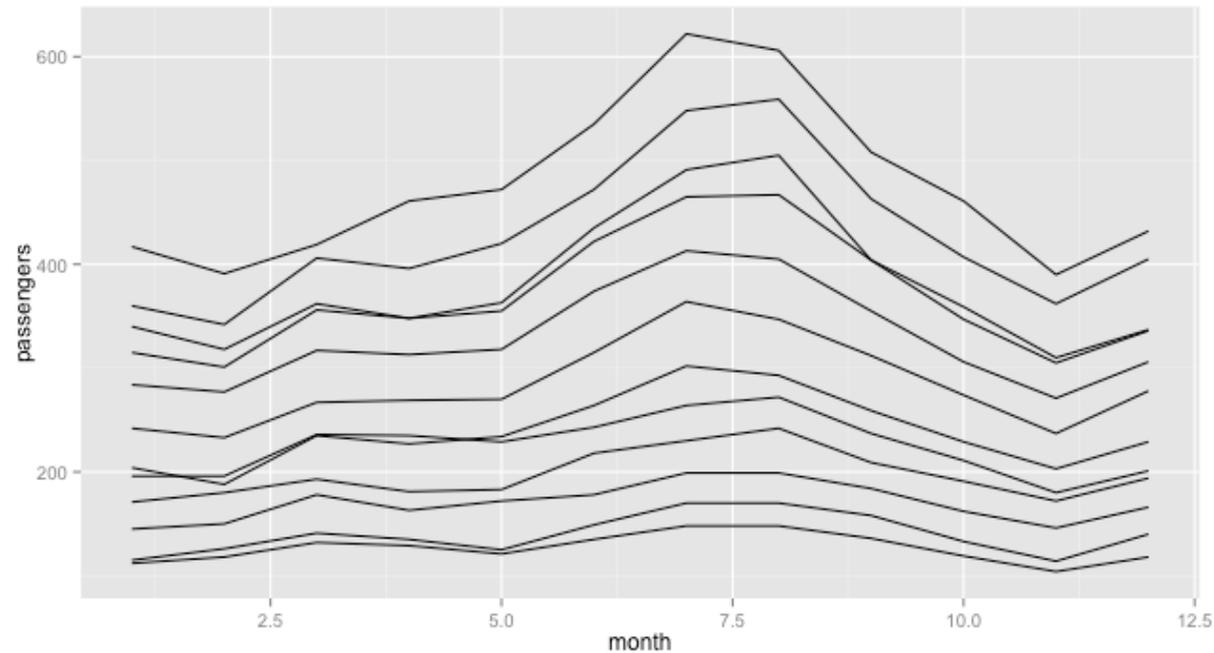
```
ggplot(data = df, aes(x = month, y = passengers)) + geom_line()
```



Groupes

En précisant que l'on souhaite regrouper par années

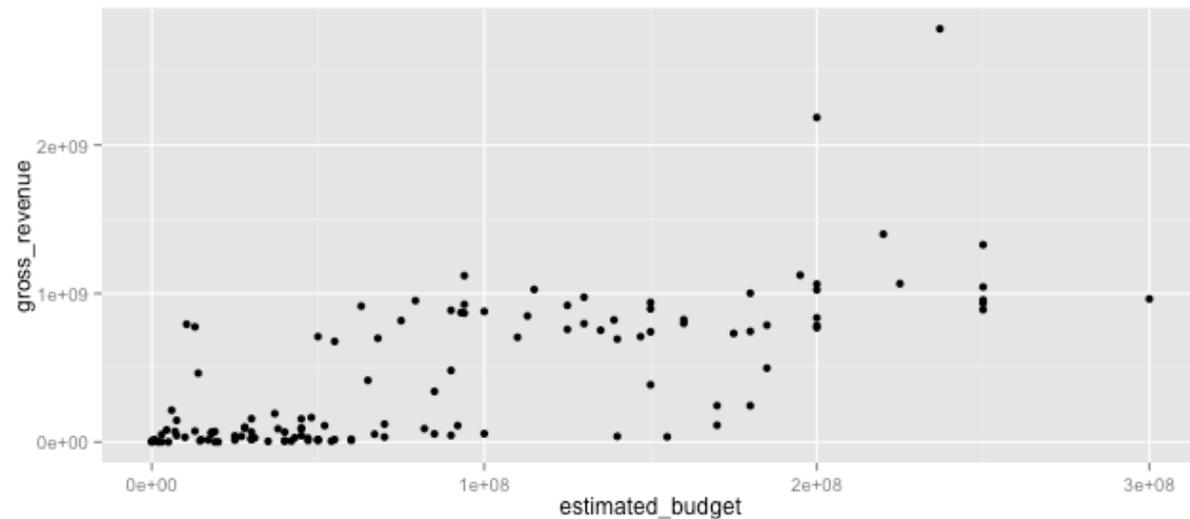
```
ggplot(data = df, aes(x = month, y = passengers, group = year)) +  
  geom_line()
```



Annotations

- Il est possible d'ajouter du texte ou des objets géométrique sur un graphique ;
- Les exemples qui suivent s'appuient sur le graphique suivant :

```
p <- ggplot(data = films_reduit,  
            aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue)) +  
  geom_point()  
p
```



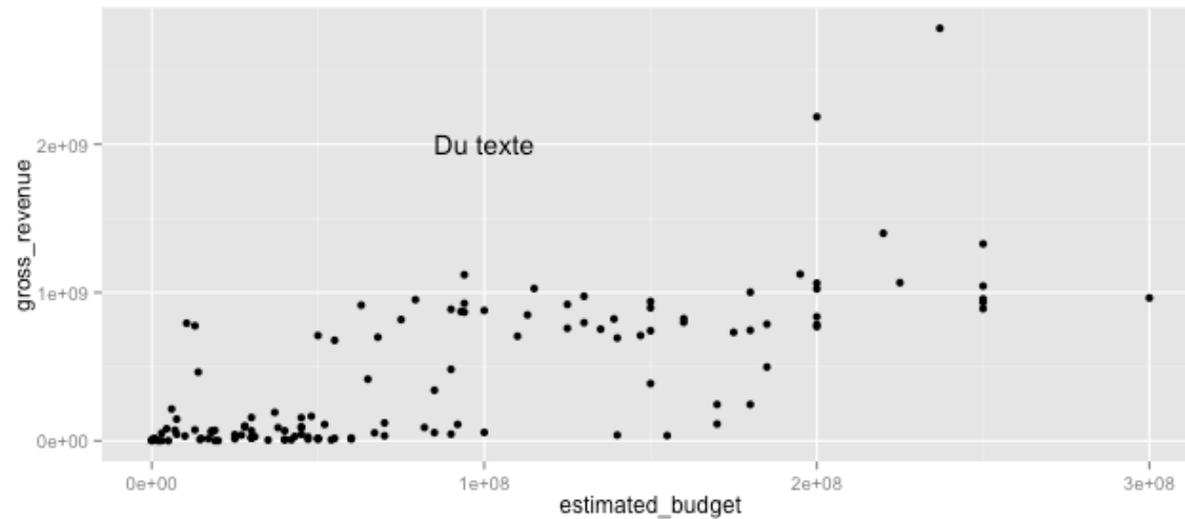
Annotations : ajout de texte

- Pour ajouter du texte : `geom_text()` ou `annotate()` ;
- Résultats plus performants avec `annotate()` ;
- Les données fournies à `annotate()` ne sont pas héritées ;
- Chaque annotation est une couche ;
- Le paramètre `geom` doit prendre la valeur `"texte"` ;
- Les paramètres `x` et `y` indiquent la (les) position(s) (x,y) du centre du texte ;
- Le paramètre `legend` doit recevoir un vecteur de caractères ;
- Le paramètre `colour` permet de changer la couleur, noire par défaut.

Annotations : ajout de texte

- Une annotation basique :

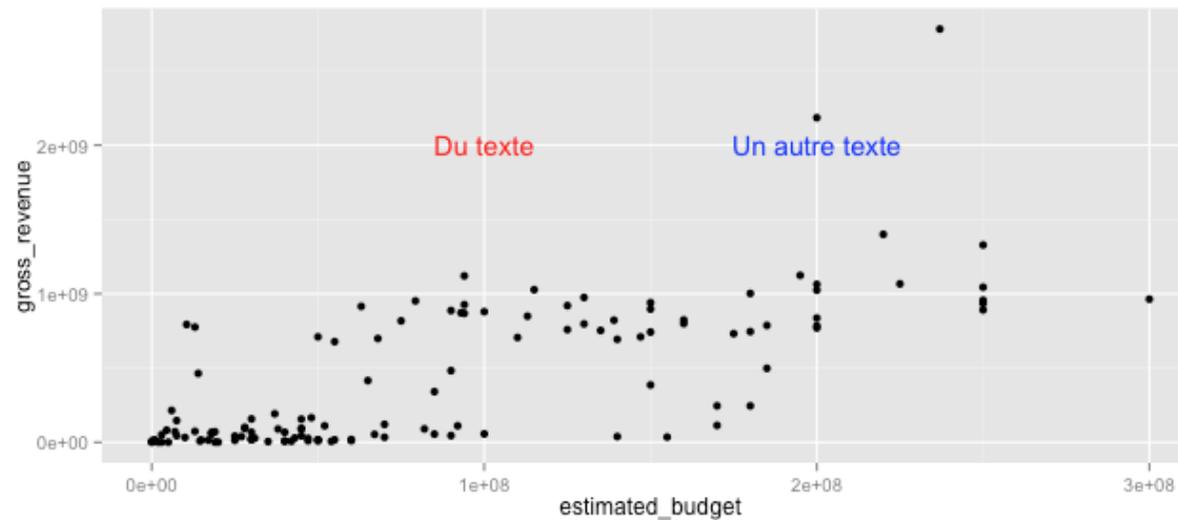
```
p + annotate("text", x = 1e8, y = 2e9, label = "Du texte")
```



Annotations : ajout de texte

- Avec deux textes, le premier en rouge, et l'autre en bleu :

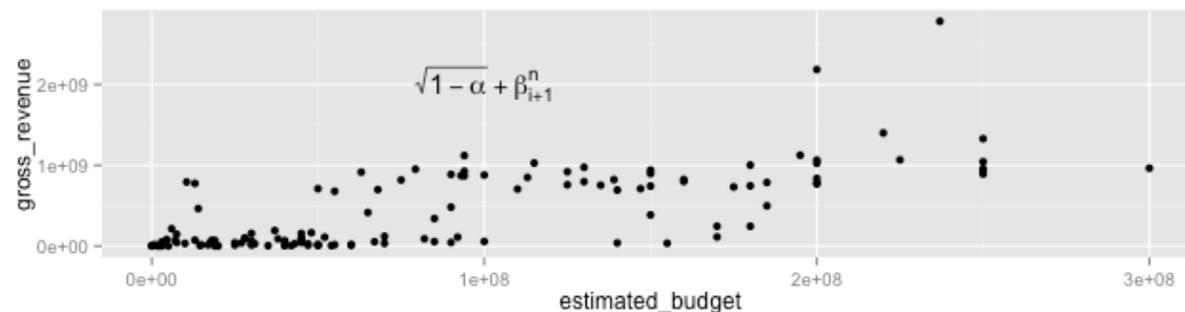
```
p + annotate("text", x = c(1e8, 2e8), y = 2e9,  
           label = c("Du texte", "Un autre texte"),  
           colour = c("red", "blue"))
```



Annotations : ajout de texte

- Pour ajouter des expressions mathématiques : `parse = TRUE` :
 - lettres grecques : écrire leur nom en entier,
 - écrire en indice : `[texte]`,
 - écrire en exposant : `^texte`,
 - indice et exposant pour un terme : d'abord en indice, puis en exposant.

```
p + annotate("text", x = 1e8, y = 2e9,  
            label = "sqrt(1-alpha) + beta[i+1]^n", parse = TRUE)
```



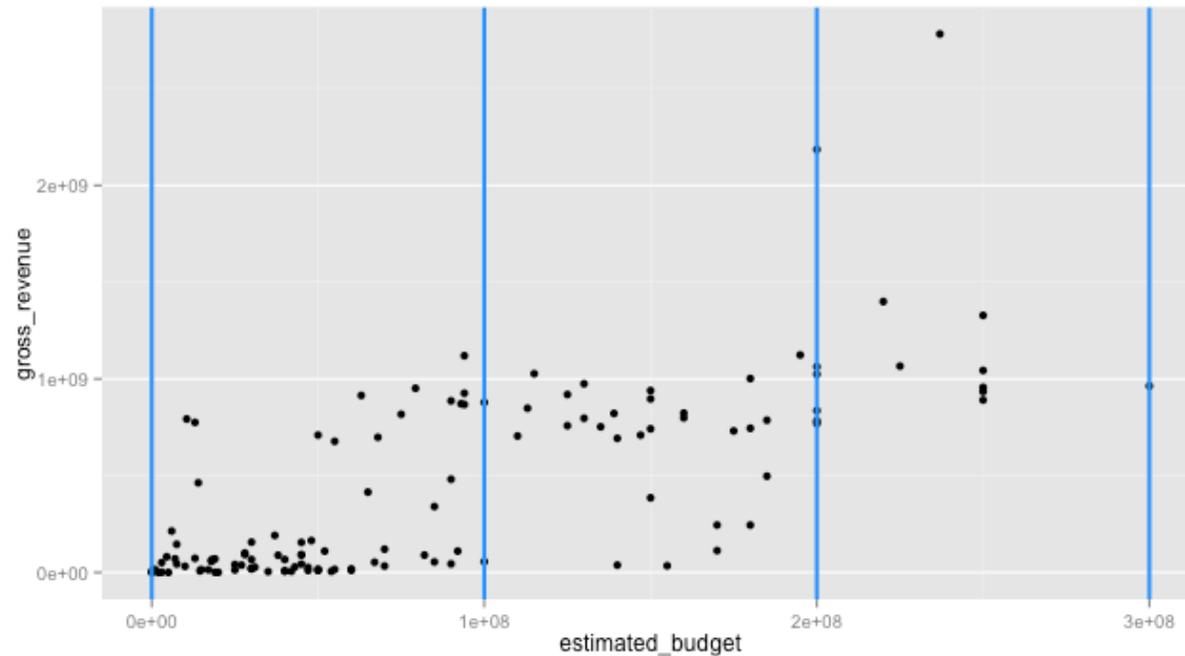
Annotations : ajout de lignes

- Quatre fonctions pour ajouter des lignes sur un graphique, en plus de `geom_line()` et `geom_path()` :
 - `geom_vline()` : ligne verticale ;
 - `geom_hline()` : ligne horizontale ;
 - `geom_abline()` : ligne spécifiée par sa pente et son ordonnée à l'origine ;
 - `geom_segment()` : segment (ou flèche en utilisant `arrow()`).

Annotations : ajout de lignes

- Ligne verticale :

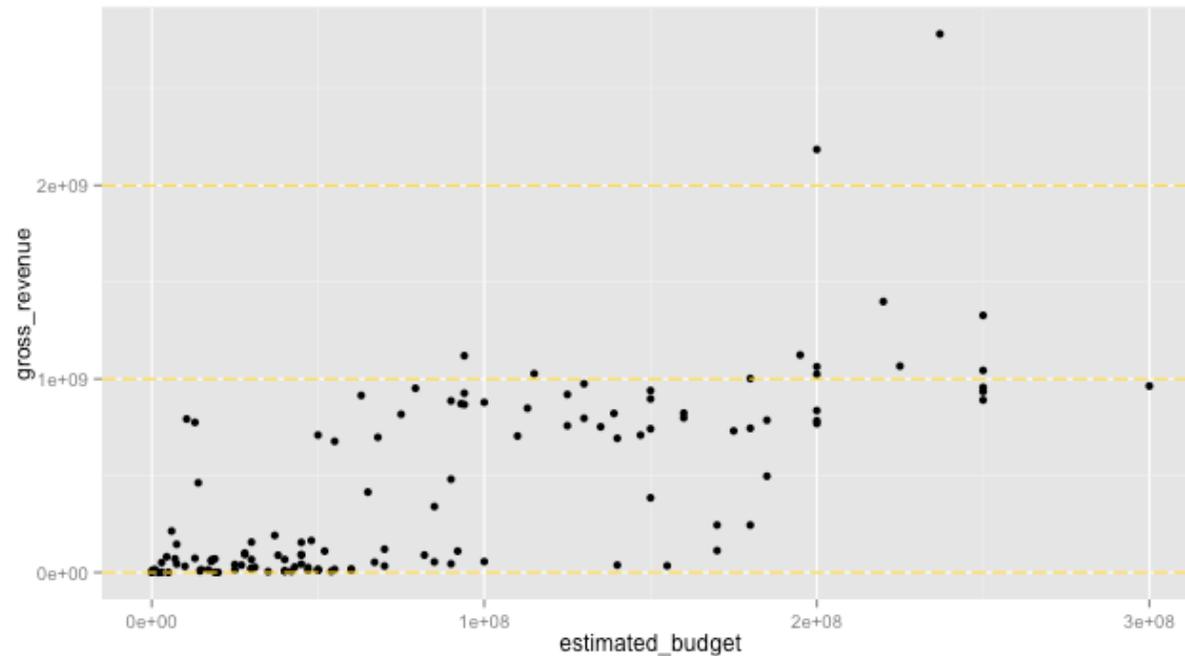
```
p + geom_vline(xintercept = seq(0, 3e8, by = 1e8),  
              size = 1, col = "dodger blue")
```



Annotations : ajout de lignes

- Ligne horizontale :

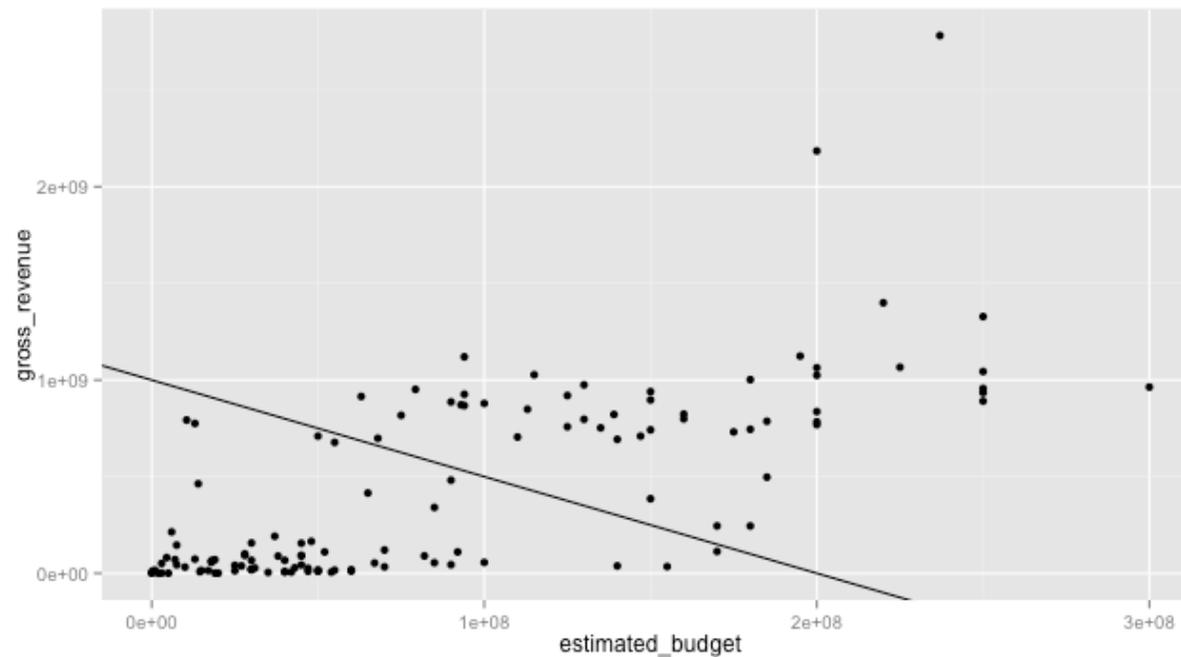
```
p + geom_hline(yintercept = seq(0, 2e9, by = 1e9),  
              col = "gold", linetype = "longdash")
```



Annotations : ajout de lignes

- Droite :

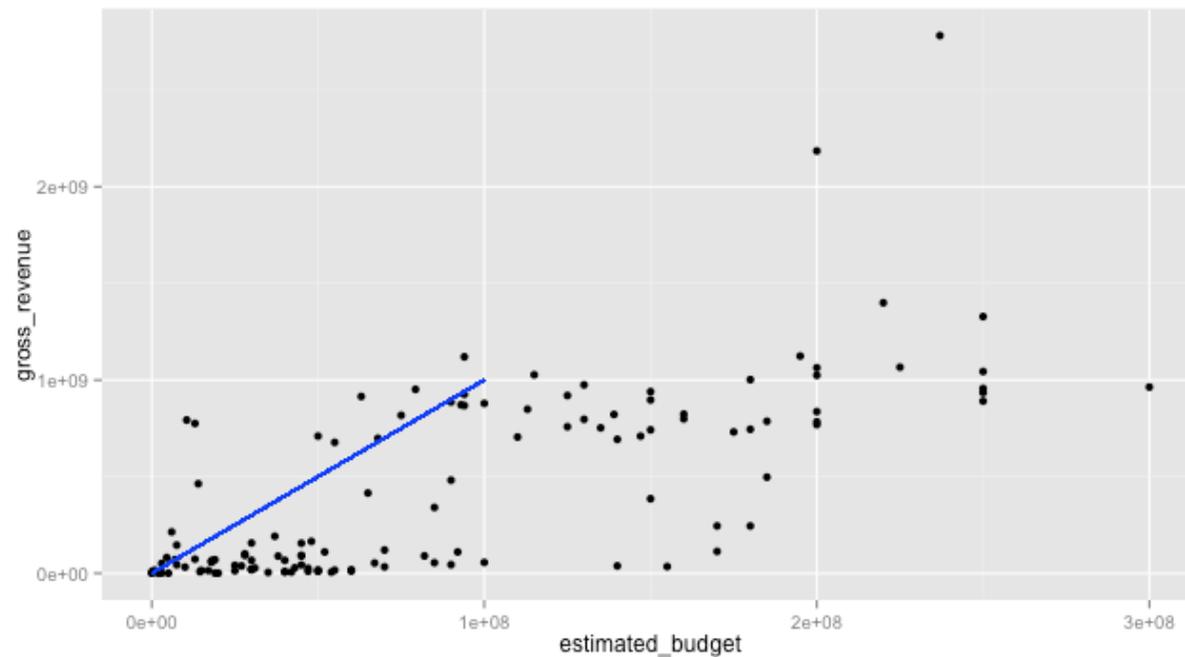
```
p + geom_abline(intercept = 1e9, slope = -5)
```



Annotations : ajout de lignes

- Segment :

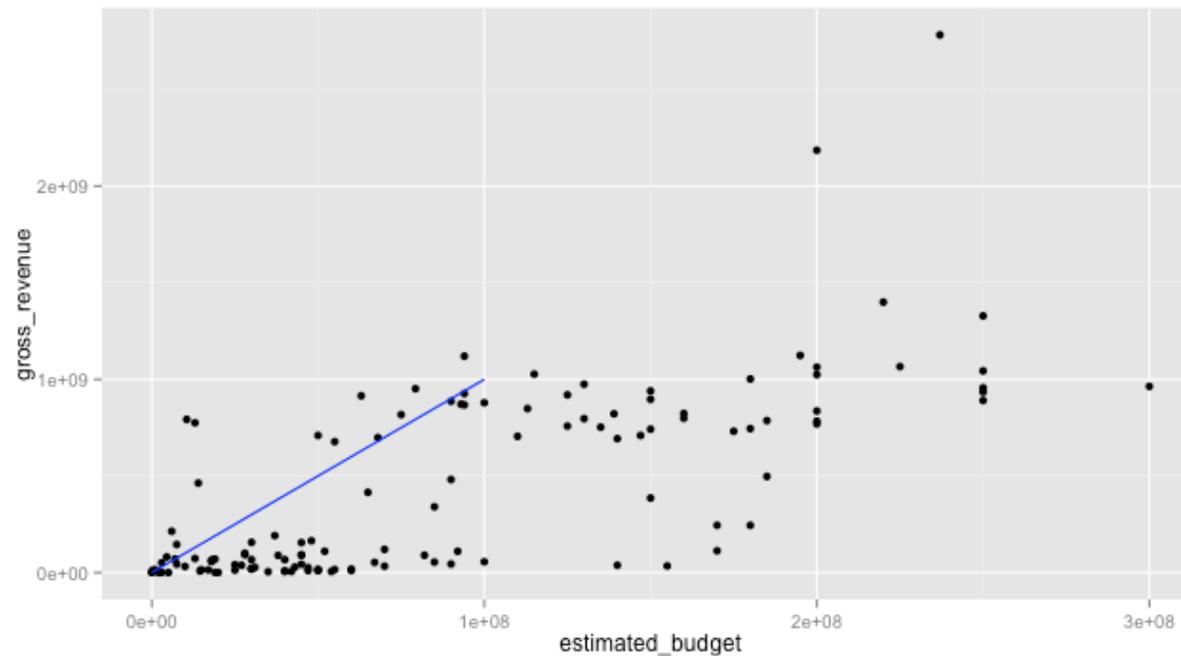
```
p + geom_segment(aes(x = 0, xend = 1e8, y = 0, yend = 1e9), col = "blue")
```



Annotations : ajout de lignes

- Pour les segments, on peut utiliser `annotate()` :

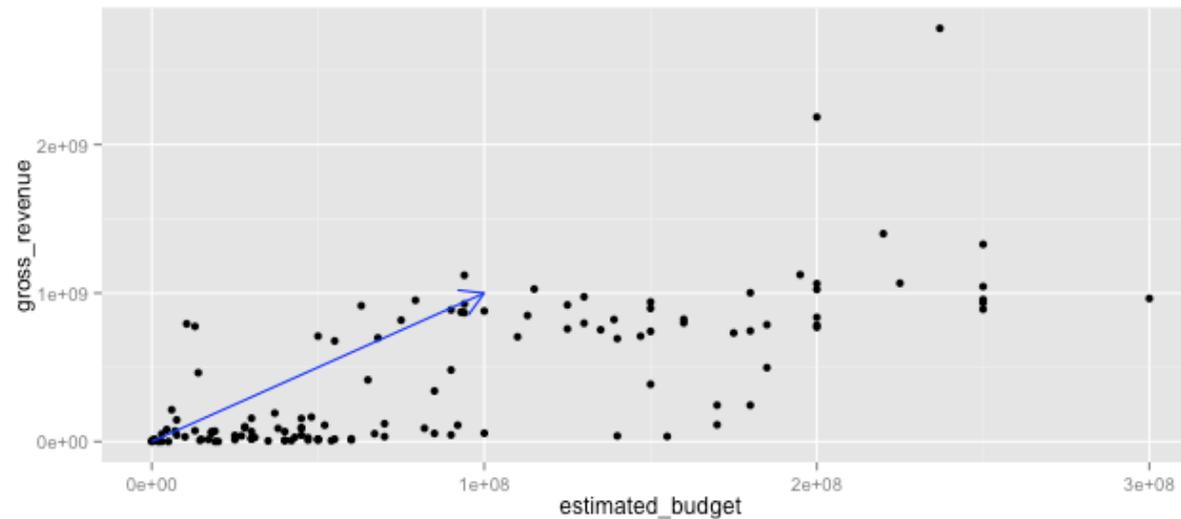
```
p + annotate(geom = "segment", x = 0, xend = 1e8,  
           y = 0, yend = 1e9, col = "blue")
```



Annotations : ajout de lignes

- Pour tracer une flèche : `arrow()` (package `grid`) :

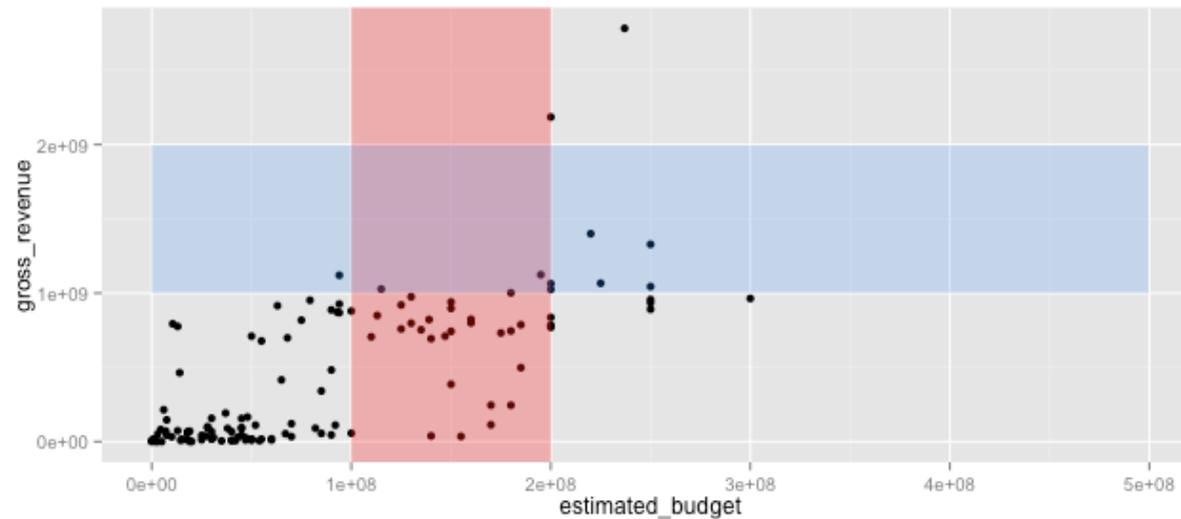
```
library(grid)
p + annotate(geom = "segment", x = 0, xend = 1e8,
            y = 0, yend = 1e9, col = "blue",
            arrow = arrow(length = unit(0.5, "cm")))
```



Annotations : ajout de rectangles

- L'ajout de rectangle peut se faire avec `geom_rect()` ou `annotate()` :

```
p + annotate(geom = "rect", xmin = 1e8, xmax = 2e8, ymin = -Inf, ymax = Inf,  
           alpha = .3, fill = "red") +  
  annotate(geom = "rect", xmin = 0, xmax = 5e8, ymin = 1e9, ymax = 2e9,  
         alpha = .2, fill = "dodger blue")
```



Exercices

À partir du graphique suivant :

```
p <- ggplot() + geom_point(data = diamonds[sample(1:nrow(diamonds), 1000), ],  
                           aes(x = carat, y = price, colour = cut))
```

1. Ajouter une ligne horizontale à $y = 10,000$, en pointillés gris ;
2. Ajouter le texte "Echantillon de taille 1000" à n'importe quel endroit du graphique.

Positions

- Pour modifier le positionnement de certains éléments des graphiques :

FONCTION	DESCRIPTION
<code>position_dodge</code>	évite les chevauchements, place les éléments côte à côte
<code>position_fill</code>	empile les éléments qui se chevauchent, en normalisant pour avoir une hauteur égale
<code>position_identity</code>	n'ajuste pas la position
<code>position_jitter</code>	place les éléments côte à côte en essayant d'optimiser l'espace
<code>position_stack</code>	empile les éléments qui se chevauchent

- On peut appeler ces fonctions via le paramètre `position` des fonctions `geom_*()`, en conservant uniquement le suffixe.

Positions : exemples pour un histogramme

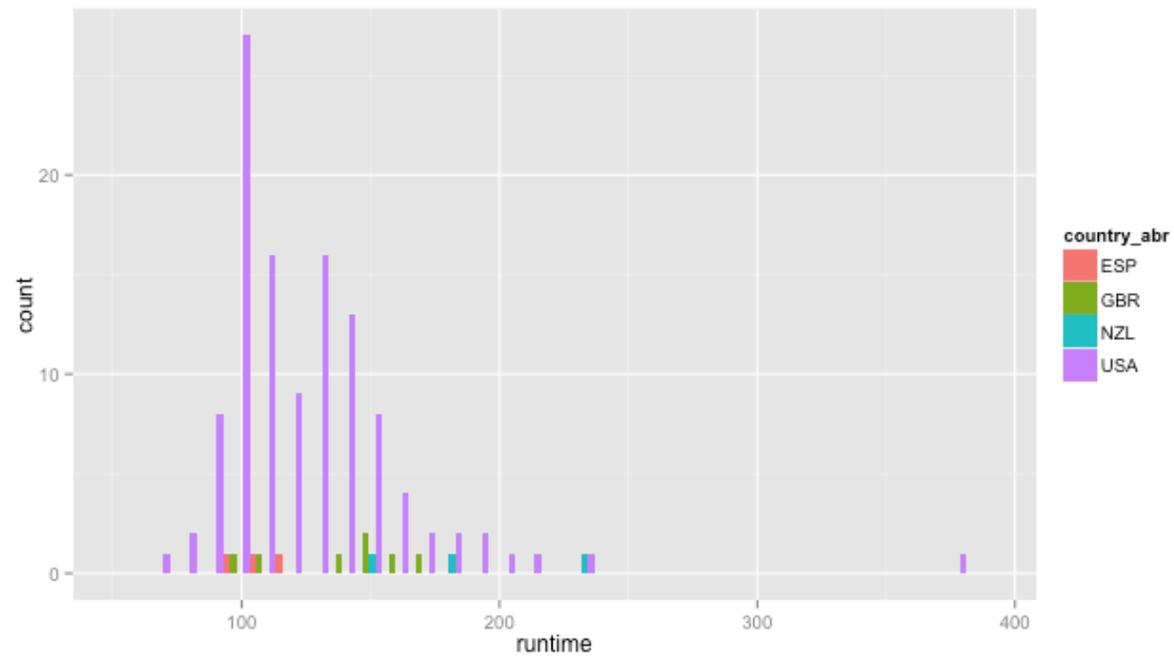
- La base du graphique :

```
p <- ggplot(data = films_reduit, aes(x = runtime, fill = country_abr))
```

Positions : exemples pour un histogramme

- Dodge :

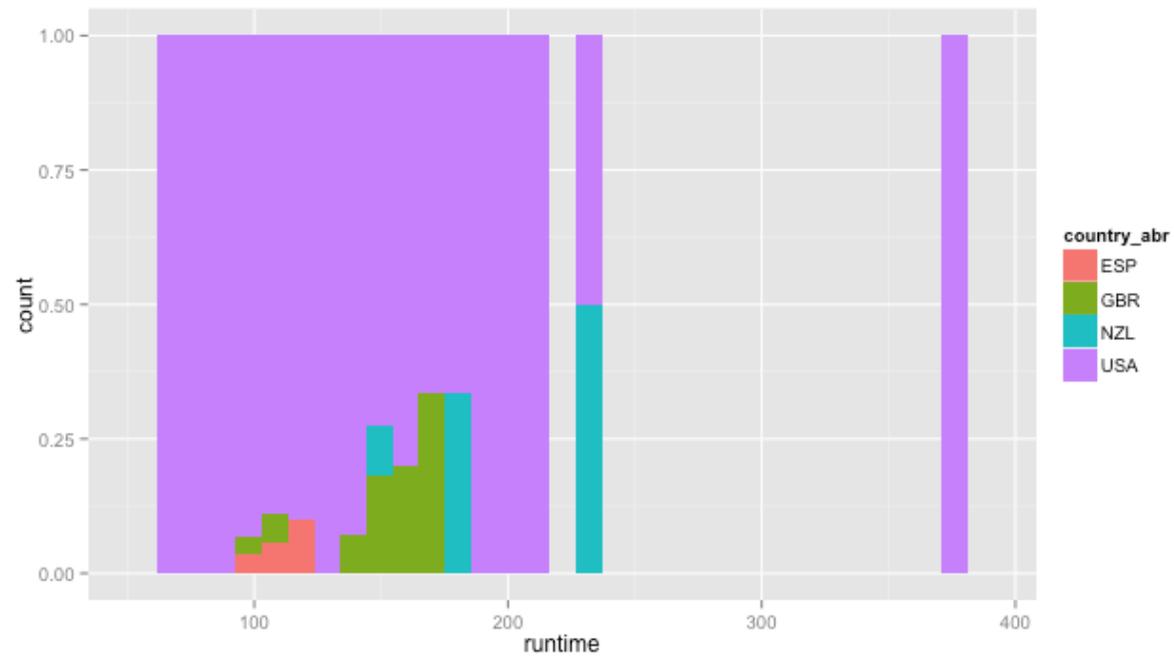
```
p + geom_bar(position = "dodge")
```



Positions : exemples pour un histogramme

- Fill :

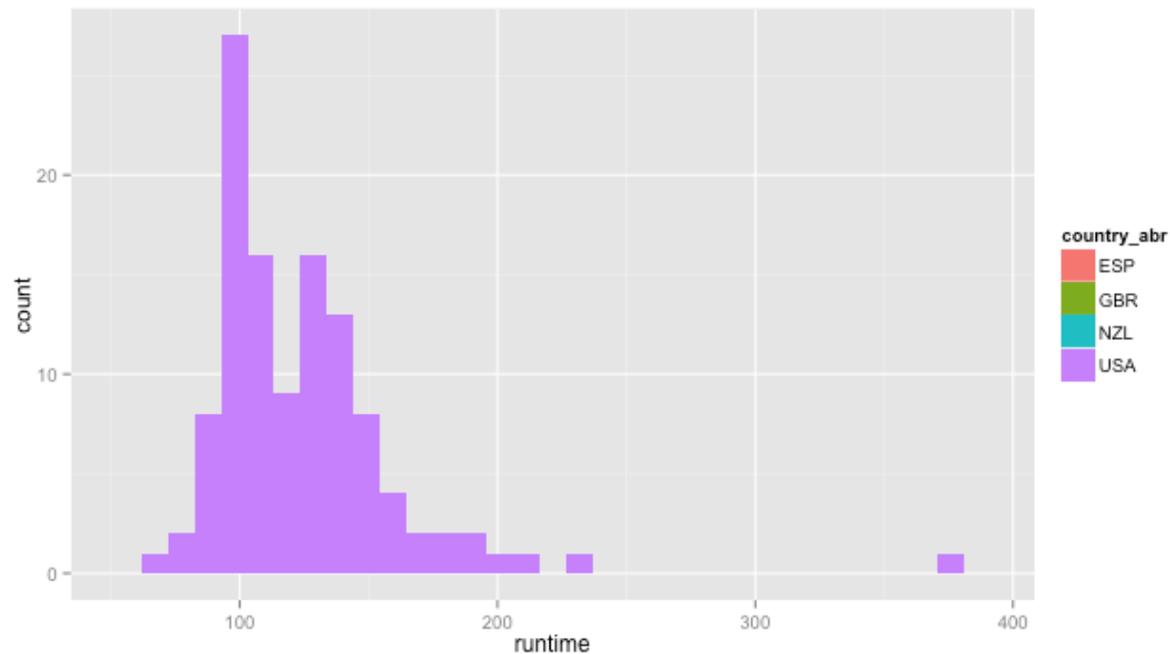
```
p + geom_bar(position = "fill")
```



Positions : exemples pour un histogramme

- Identity (pas pratique avec un barchart, cela peut cacher certaines barres)

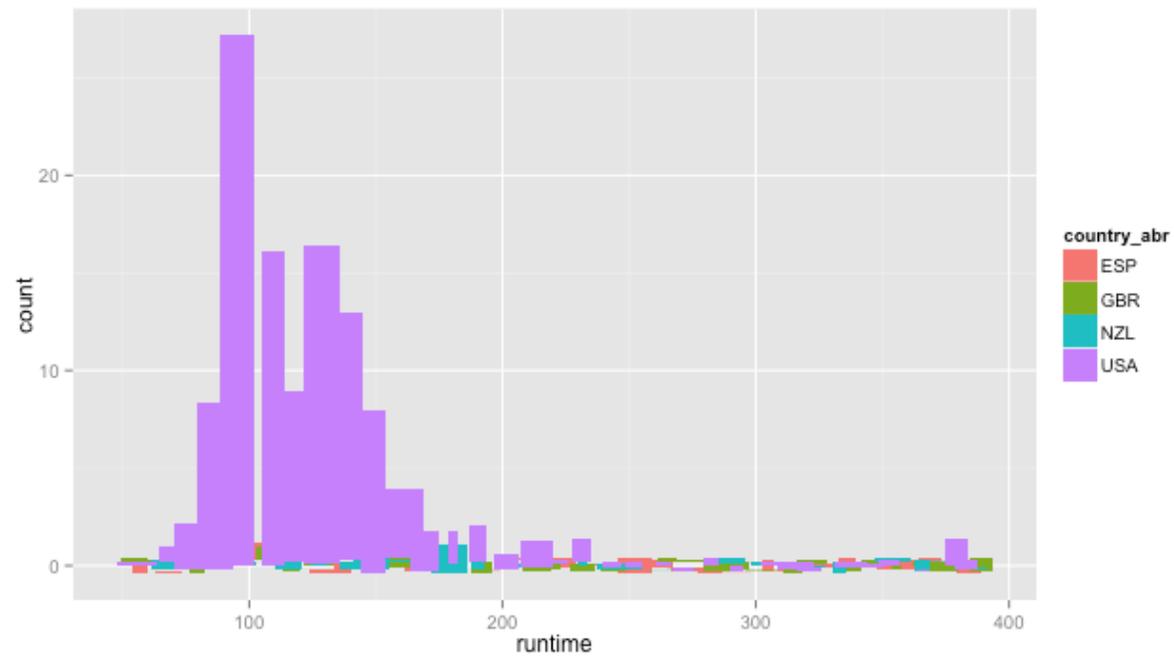
```
p + geom_bar(position = "identity")
```



Positions : exemples pour un histogramme

- Jitter :

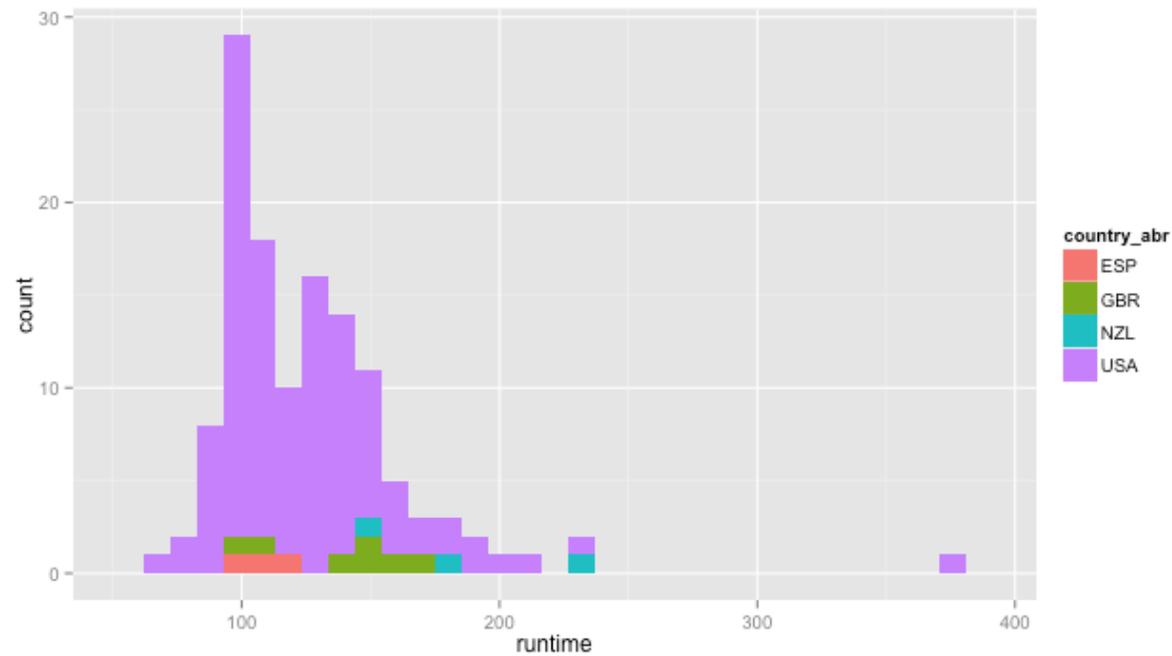
```
p + geom_bar(position = "jitter")
```



Positions : exemples pour un histogramme

- Stack :

```
p + geom_bar(position = "stack")
```



Facettes

- Produire des graphiques de même types pour différentes sous-divisions du `data.frame` ;
- Les aligner sur une grille ;
- Deux fonctions :
 - `facet_grid()` : grille 2d, variables définissant lignes et colonnes,
 - `facet_wrap()` : graphiques pour chaque sous-division, mis bout-à-bout dans une matrice 2x2.
- Deux paramètres principaux :
 - les variables servant au faceting,
 - un logique pour indiquer si les échelles doivent être locales ou globales.

Facettes

- Il nous faut une autre variable indicatrice (sans trop de modalités), pour les exemples.

```
films_reduit$sold <- ifelse(films_reduit$year <= 2000, "ancien", "nouveau")
```

Facettes : `facet_grid()`

- Création d'une grille ;
- Colonnes pour les valeurs d'un facteur ;
- Lignes pour les valeurs d'un autre facteur ;
- Le paramètre principal est `facets` :

VALEUR	EFFET
<code>. ~ .</code> (par défaut)	pas de faceting
<code>. ~ variable_colonne</code>	une ligne, autant de colonnes que de valeurs pour <code>variable_colonne</code>
<code>variable_ligne ~ .</code>	autant de lignes que de valeurs possibles pour <code>variable_ligne</code>
<code>variable_ligne ~ variable_colonne</code>	autant de lignes que de valeurs possibles pour <code>variable_ligne</code> , autant de colonnes que de valeurs possibles pour <code>variable_colonne</code>

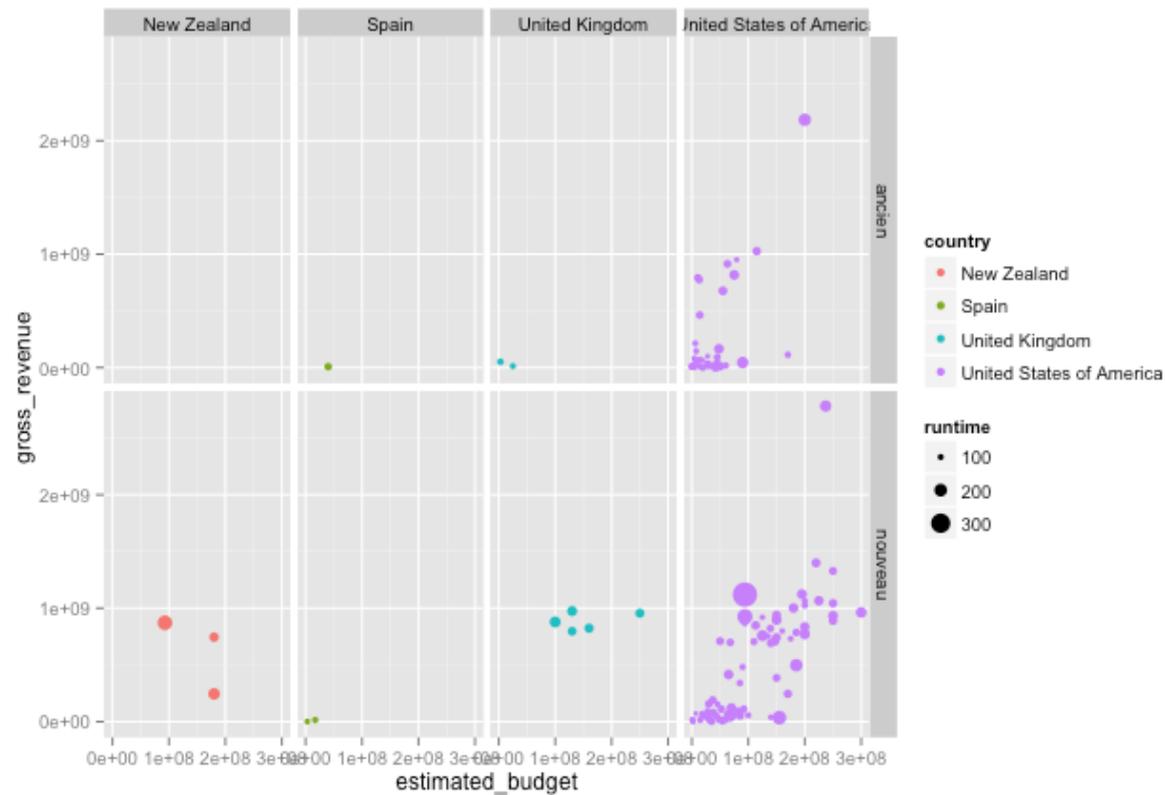
Facettes : `facet_grid()`

```
p <- ggplot(data = films_reduit, aes(x = estimated_budget,  
                                     y = gross_revenue,  
                                     colour = country,  
                                     size = runtime)) +  
  
geom_point()
```


Facettes : `facet_grid()`

- Avec en ligne la récence du film, et en colonne le pays :

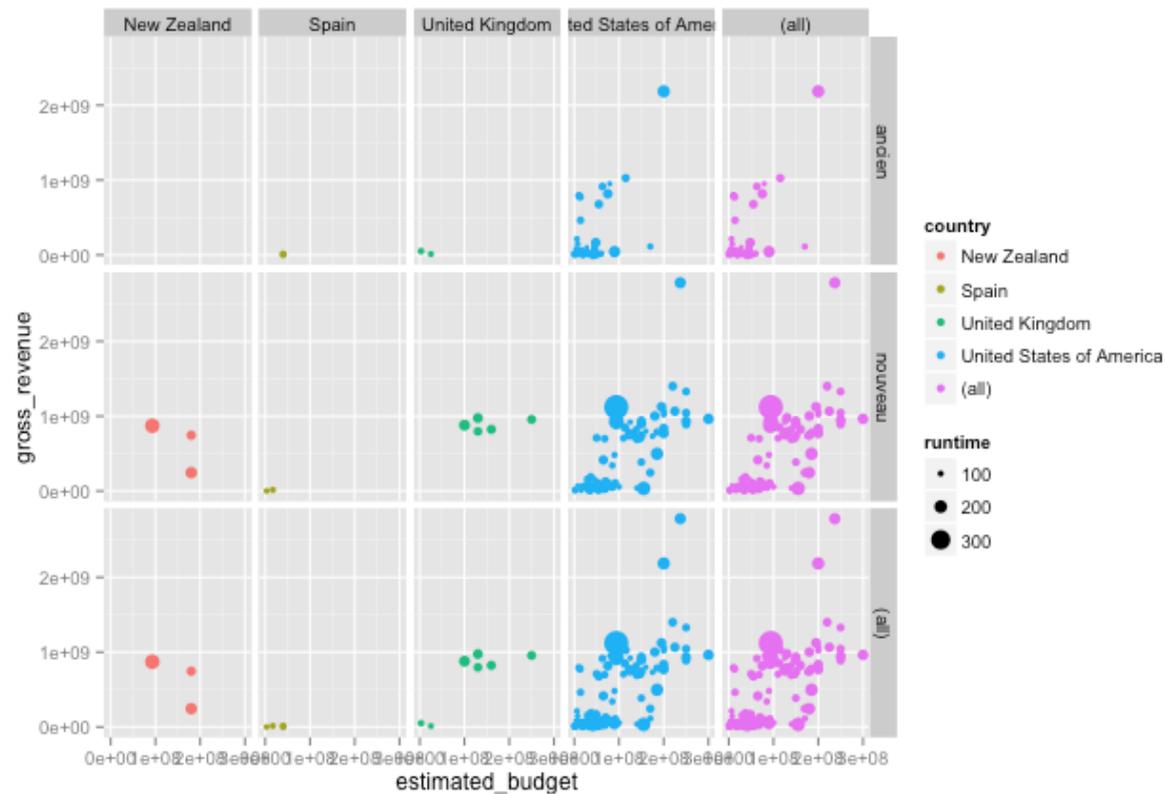
```
p + facet_grid(old ~ country)
```



Facettes : `facet_grid()`

- Si on désire également afficher les situations marginales : `margins = TRUE` ;

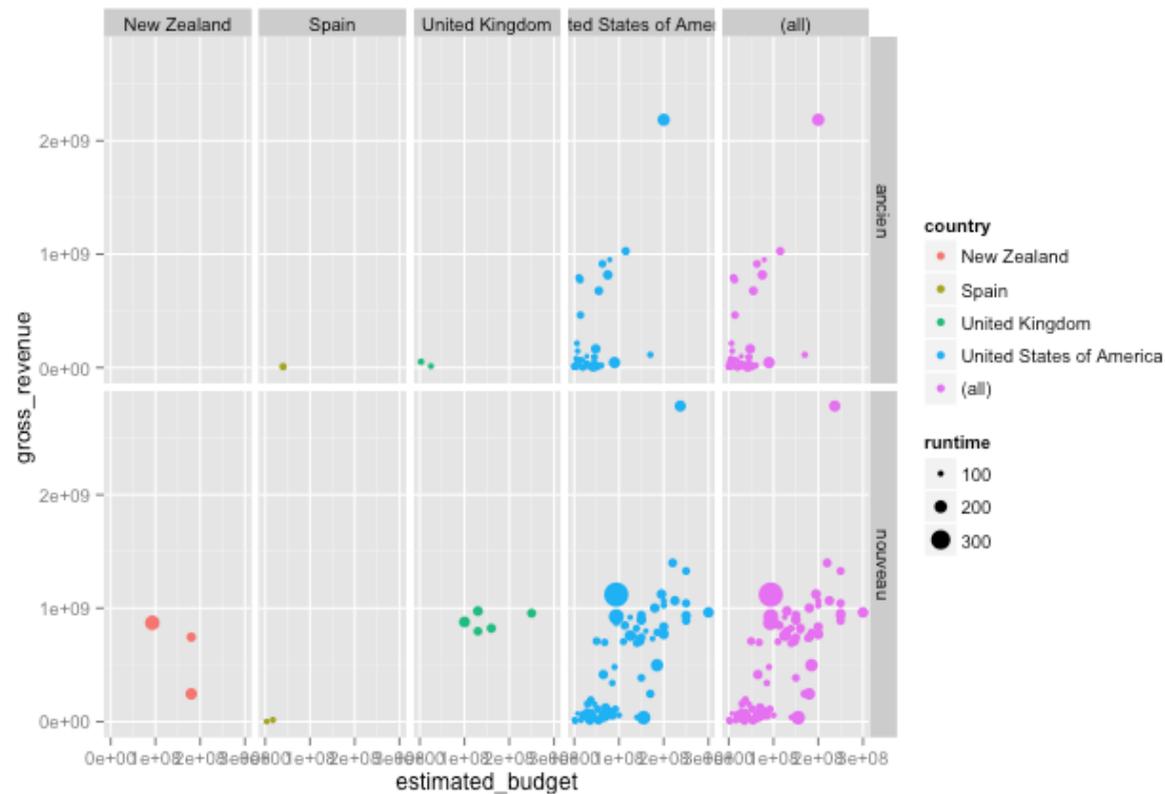
```
p + facet_grid(old ~ country, margins = TRUE)
```



Facettes : `facet_grid()`

- Les situations marginales pour une seule variable : donner son nom à `margins`.

```
p + facet_grid(old ~ country, margins = "country")
```



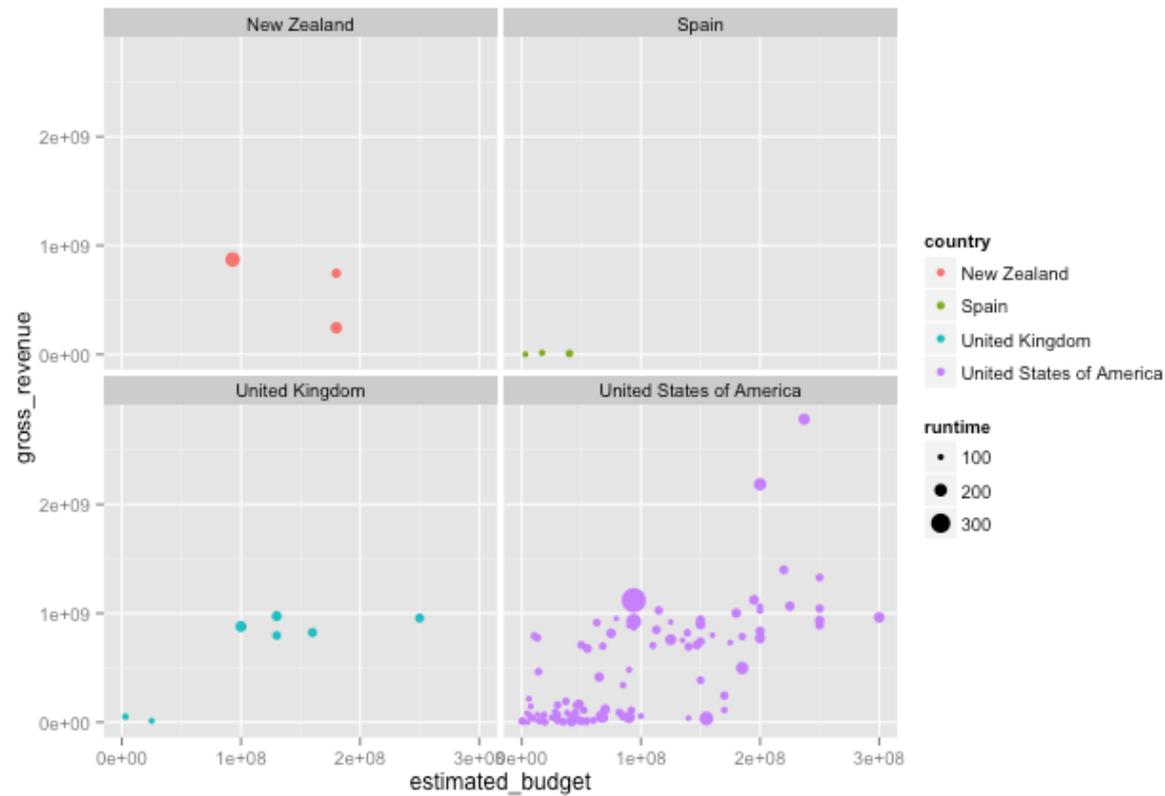
Facettes : `facet_wrap()`

- Même type de graphique appliqué à des sous-échantillons de la base, selon un ou des facteurs ;
- Graphiques ensuite placés sur une grille, les uns à la suite des autres.
- À nouveau, le paramètre principal est `facets` ;
- La syntaxe est la suivante : `~ variable_1 + variable_2 ... + variable_n` ;
- La grille finale sera ce qui se rapproche au mieux d'un carré ;
- Une préférence pour les grilles larges plutôt que longue transparaît.

Facettes : `facet_wrap()`

- Avec une seule variable :

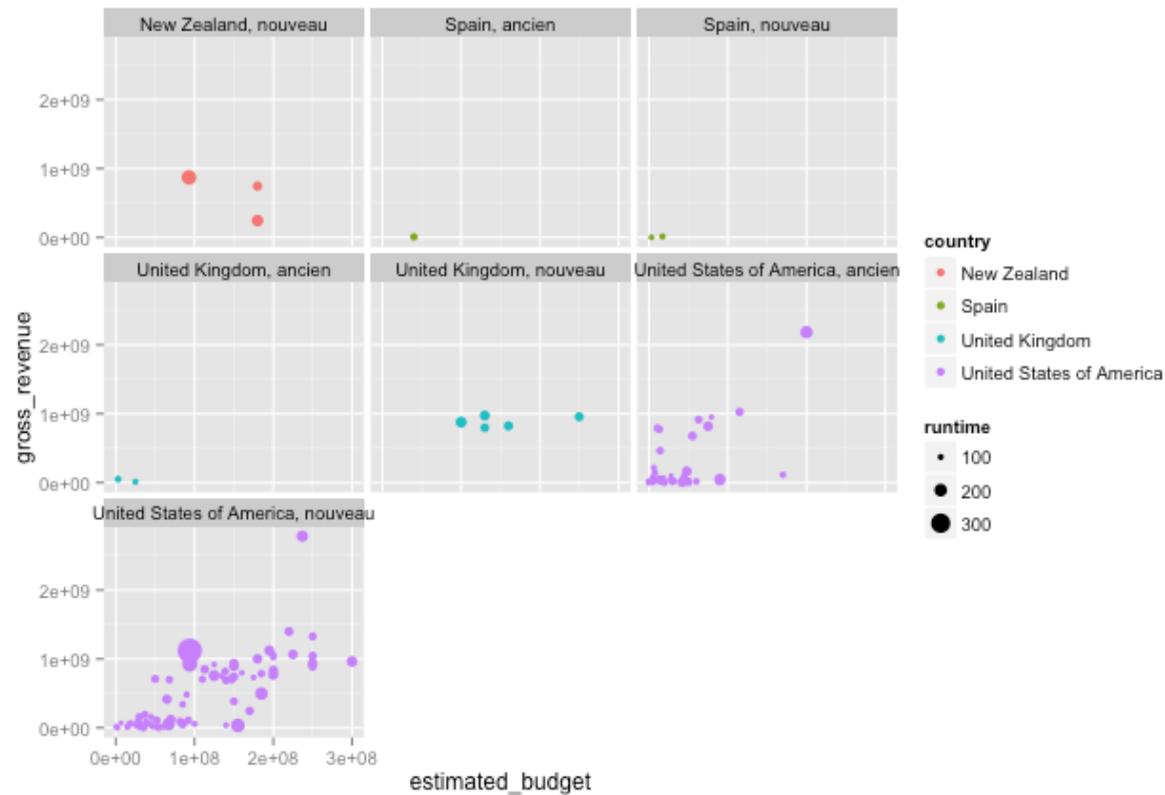
```
p + facet_wrap(facets = ~ country)
```



Facettes : `facet_wrap()`

- Avec une seule variable :

```
p + facet_wrap(facets = ~ country + old)
```



Facettes : échelles

- Les échelles des axes peuvent être identiques pour tous les graphiques de la grille
- Ou bien être propres à chaque graphique ;
- Il faut renseigner le paramètre `scales`.

VALEUR	EFFET
<code>fixed</code>	échelles fixes, identiques pour chaque graphique
<code>free</code>	échelles libres, pouvant varier en fonction de chaque graphique
<code>free_x</code>	seule l'échelle pour les <code>x</code> peut varier, l'échelle pour les <code>y</code> est fixe
<code>free_y</code>	seule l'échelle pour les <code>y</code> peut varier, l'échelle pour les <code>x</code> est fixe

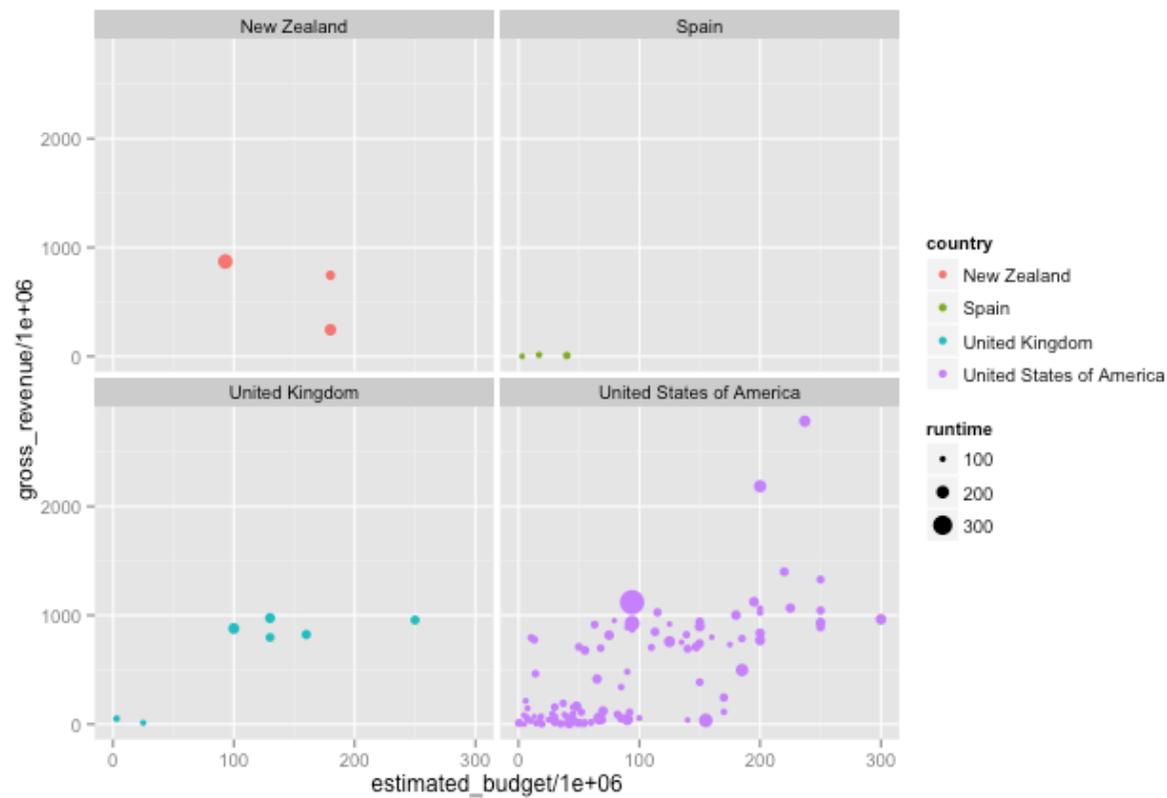
Facettes : échelles

```
p_m <- ggplot(data = films_reduit,  
             aes(estimated_budget/1000000,  
                gross_revenue/1000000,  
                colour = country,  
                size = runtime)) +  
geom_point()
```

Facettes : échelles

- Toutes les échelles identiques

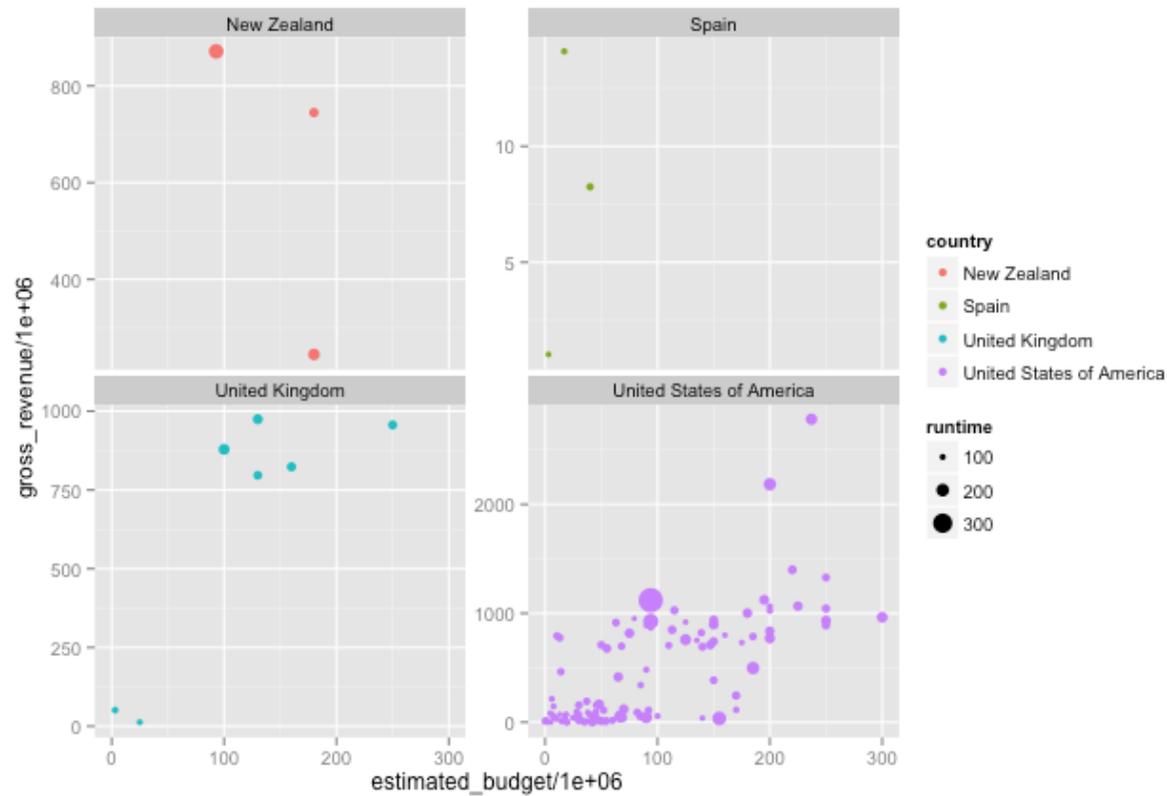
```
p_m + facet_wrap( ~ country, scales = "fixed")
```



Facettes : échelles

- Échelles variant pour chaque graphique de la grille

```
p_m + facet_wrap( ~ country, scales = "free_y")
```



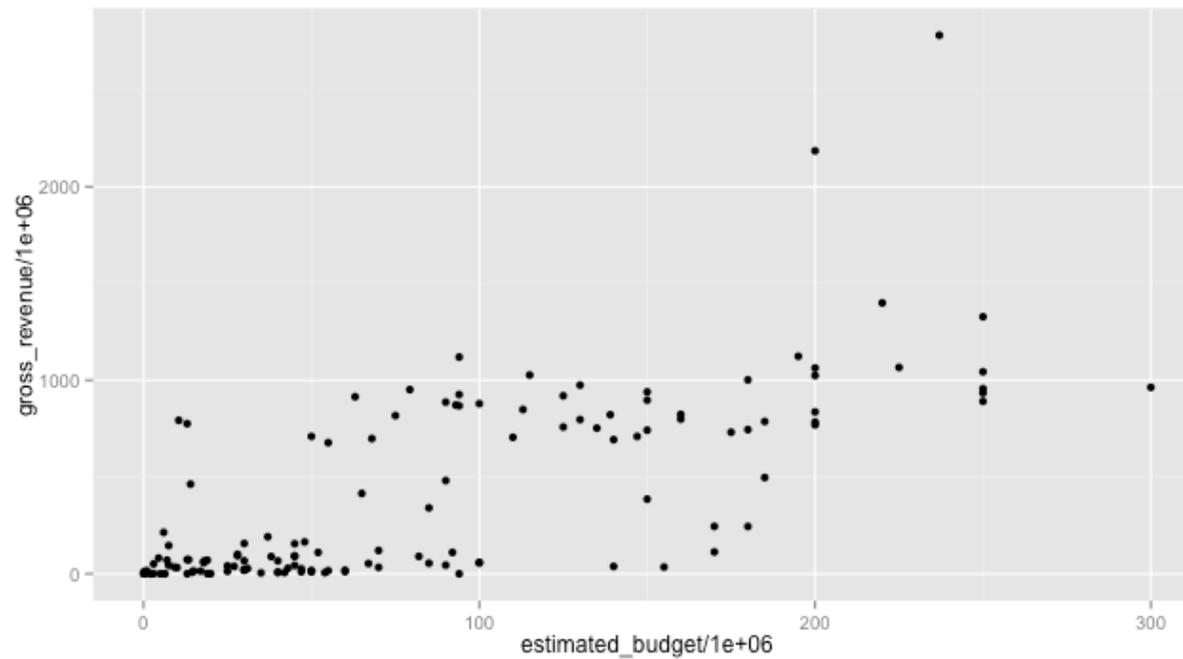
Coordonnées

- Le système de coordonnées par défaut utilisé par `ggplot2` est le système cartésien ;
- Pour en changer, on peut utiliser :
 - `coord_cartesian()` : coordonnées cartésiennes,
 - `coord_fixed()` : coordonnées cartésiennes avec la même échelle pour les deux axes,
 - `coord_flip()` : coordonnées cartésiennes avec les axes renversés,
 - `coord_map()` : projections pour les cartes,
 - `coord_polar()` : coordonnées polaires,
 - `coord_trans()` : coordonnées cartésiennes transformées.

Coordonnées

- Graphique de référence :

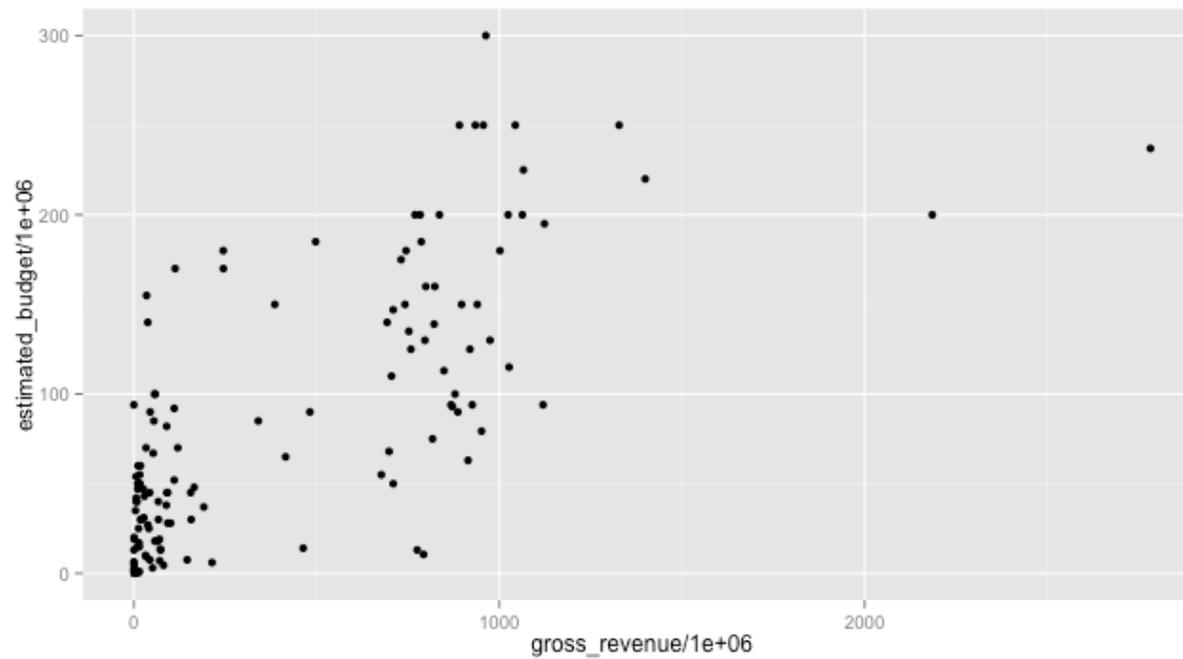
```
(p <- ggplot(data = films,  
             aes(x = estimated_budget/1e6, y = gross_revenue/1e6)) +  
  geom_point())
```



Coordonnées

- En renversant les axes :

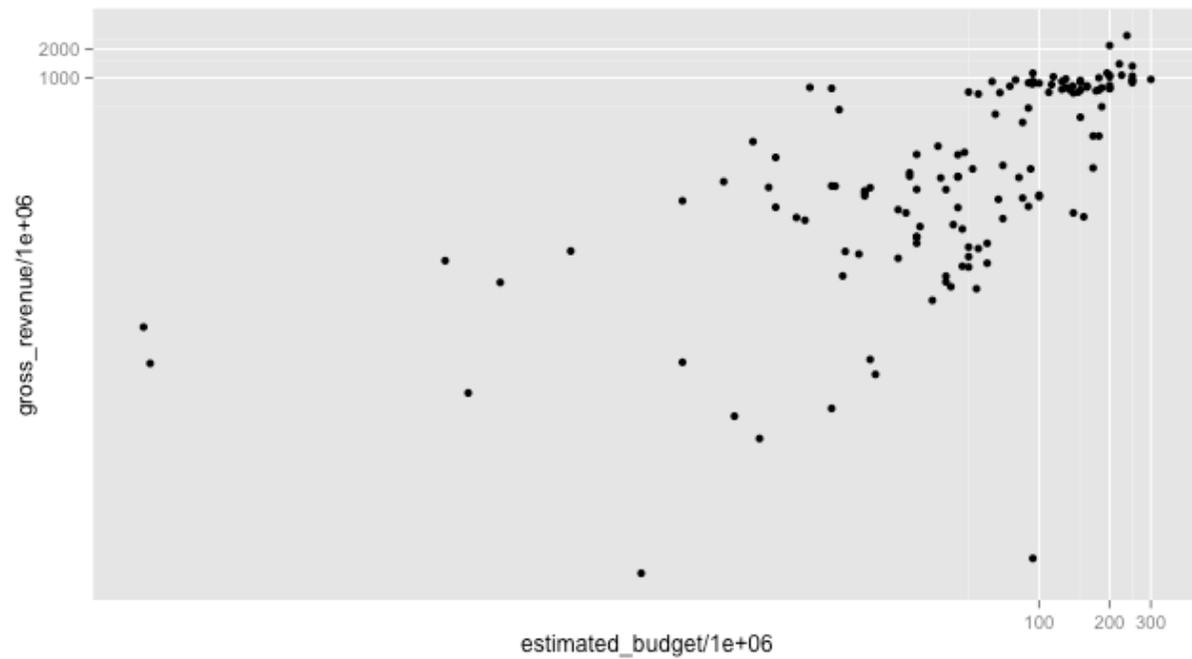
```
p + coord_flip()
```



Coordonnées

- En appliquant une transformation :

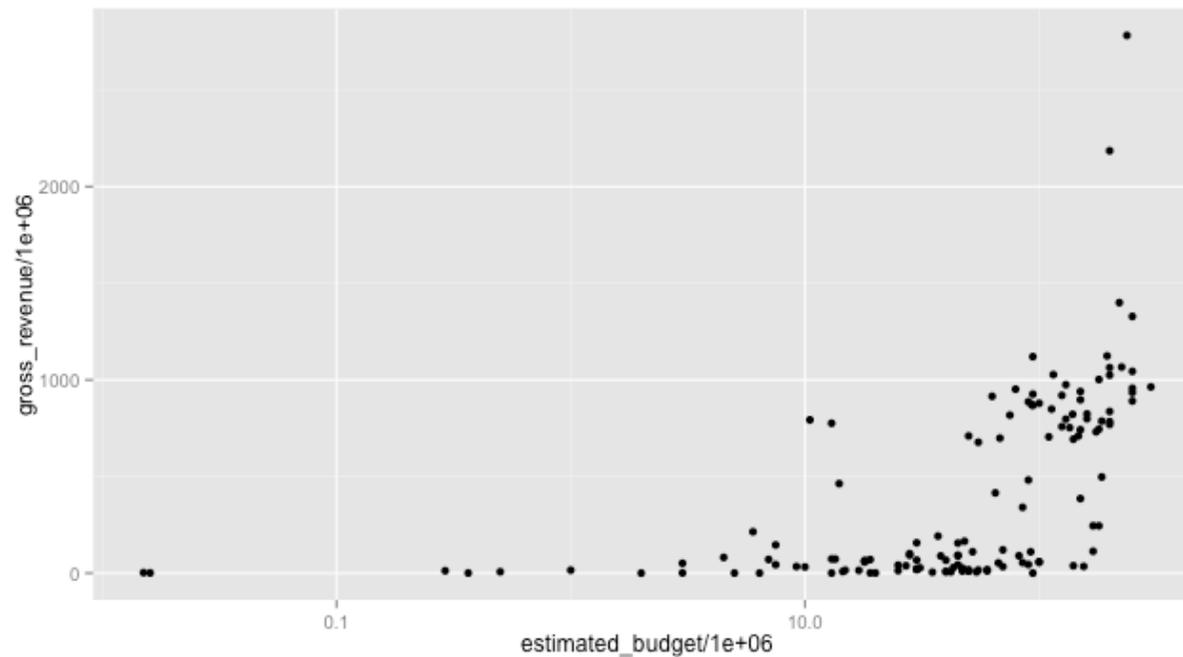
```
p + coord_trans(x = "log10", y = "log10")
```



Coordonnées

- Quand on veut appliquer la fonction log aux coordonnées, il est préférable d'utiliser la fonction `scale_x_log10()` ;
- En effet, la transformation a lieu **avant** de calculer les positions des grilles.

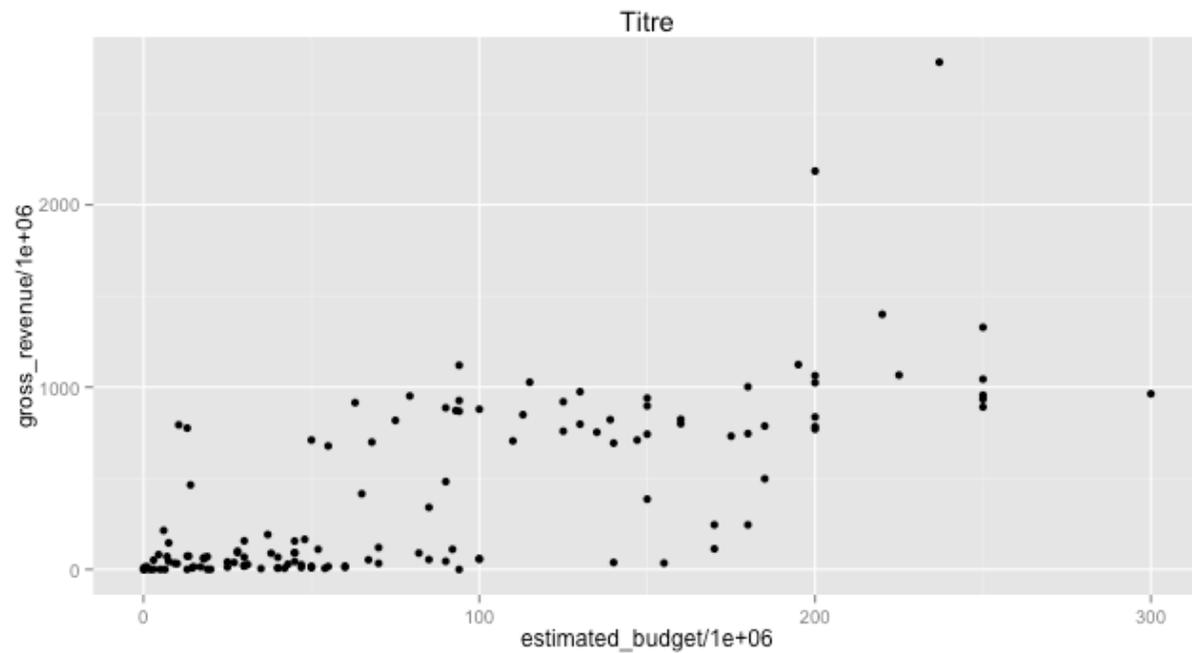
```
p + scale_x_log10()
```



Titre

- Le titre d'un graphique s'ajoute à l'aide de la fonction `ggtitle()` :

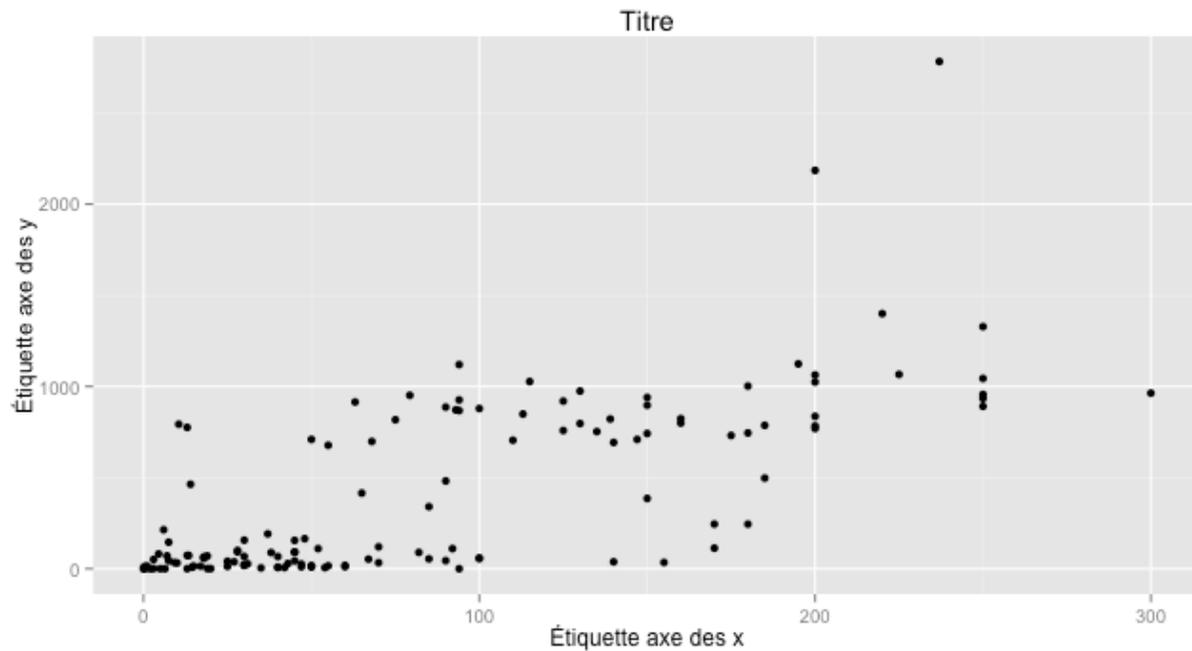
```
ggplot(data = films,  
       aes(x = estimated_budget/1e6, y = gross_revenue/1e6)) +  
  geom_point() + ggtitle("Titre")
```



Labels des axes

- Les étiquettes des axes se modifient à l'aide `xlab()` et `ylab()` :

```
ggplot(data = films,  
       aes(x = estimated_budget/1e6, y = gross_revenue/1e6)) +  
  geom_point() + ggtitle("Titre") +  
  xlab("Étiquette axe des x") + ylab("Étiquette axe des y")
```



Axes

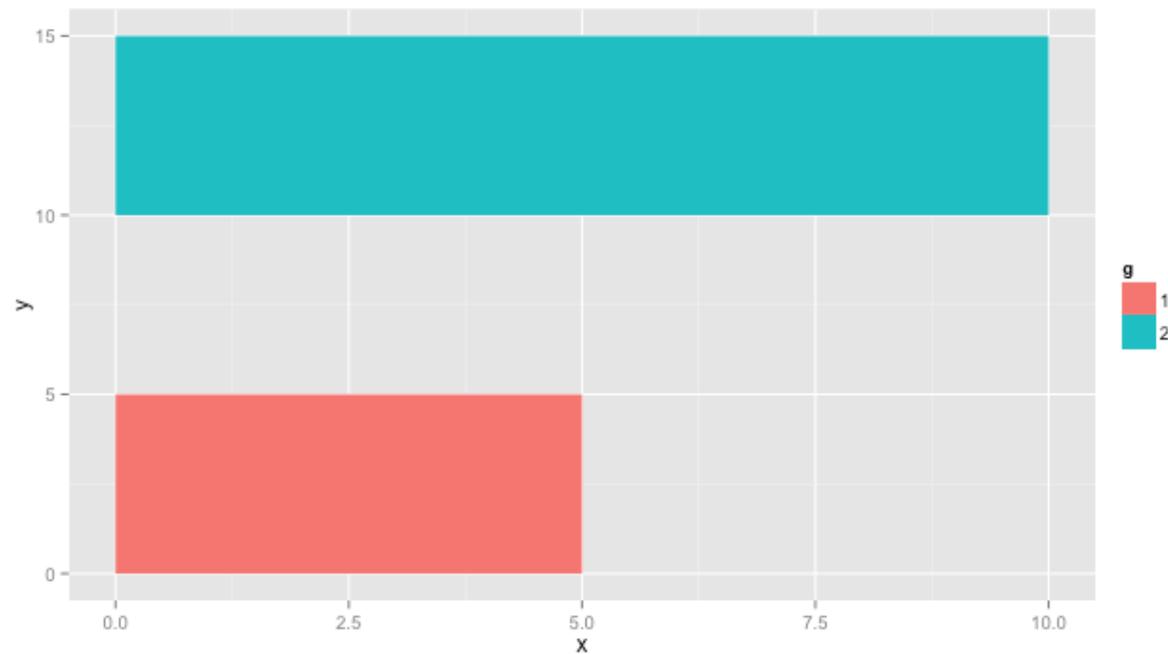
- Pour définir manuellement les limites des axes, on peut utiliser les fonctions `xlim()` et `ylim()` ;
- Mais les valeurs à afficher n'appartenant pas aux intervalles sont jetées ;
- Si on ne désire pas jeter les valeurs (dans le cas d'un "zoom" par exemple) :
 - utiliser la fonction `coord_cartesian()`,
 - renseigner les intervalles de définition aux paramètres `xlim` et `ylim`.

```
df <- data.frame(x = c(0, 0, 5, 5, 0, 0, 10, 10),  
                y = c(0, 5, 5, 0, 10, 15, 15, 10),  
                g = factor(rep(1:2, each = 4)))
```

Axes

- Le graphique original :

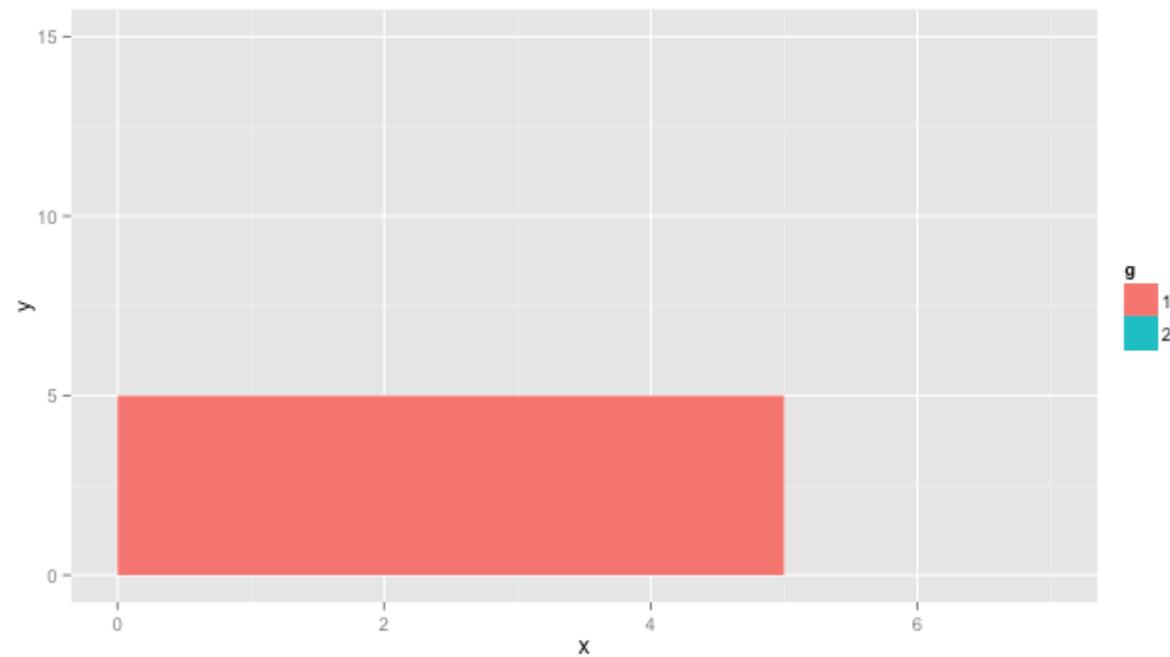
```
(p_2 <- ggplot(data = df, aes(x = x, y = y, group = g, fill = g)) +  
  geom_polygon())
```



Axes

- En jouant avec la limite des x avec la fonction xlim()

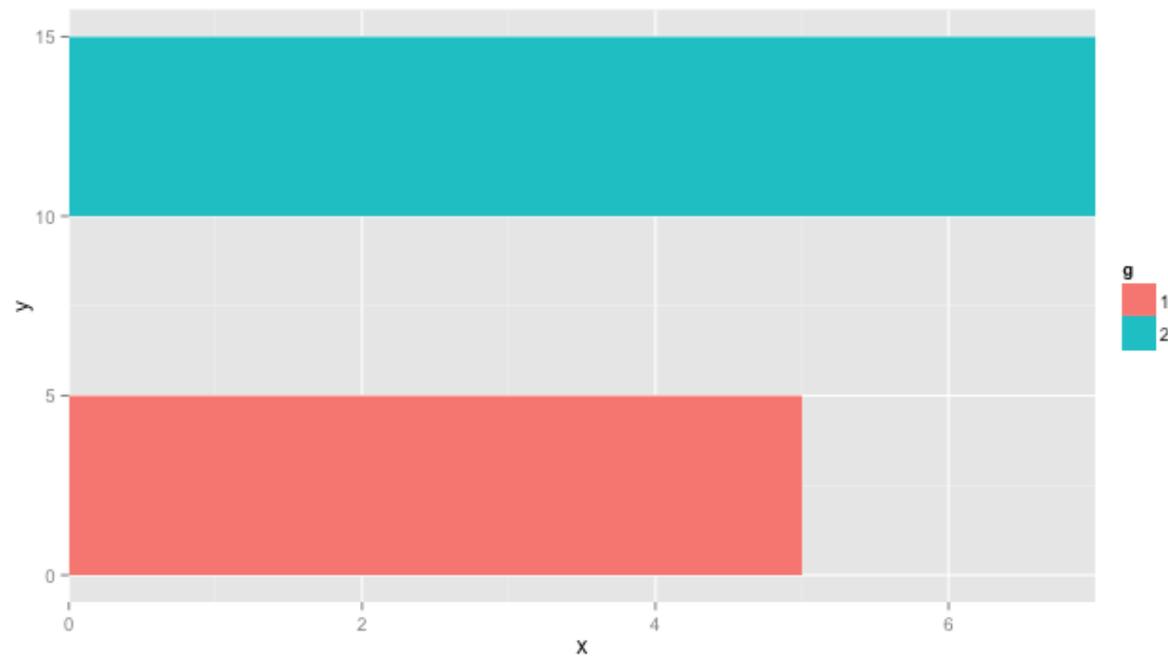
```
p_2 + xlim(0, 7)
```



Axes

- Avec la fonction `coord_cartesian()`

```
p_2 + coord_cartesian(xlim = c(0,7))
```



Exercices

À partir du graphique suivant :

```
p <- ggplot() + geom_point(data = diamonds[sample(1:nrow(diamonds), 1000), ],  
                           aes(x = carat, y = price, colour = cut))
```

1. Ajouter un titre cohérent ;
2. Changer les étiquettes des axes pour y mettre des étiquettes en français.

Aspect général

- Le changement des autres paramètres est moins évident ;
- Il faut passer par la fonction `theme()` ;
- <http://docs.ggplot2.org/current/theme.html> ;
- Quatre types de fonctions :
 - `element_text()` : pour toutes les étiquettes, ce qui est au format texte,
 - `element_line()` : pour toutes les lignes tracées,
 - `element_rect()` : pour les backgrounds et les cadres,
 - `element_blank()` permet de ne rien dessiner.

Aspect général : `element_text()`

PARAMÈTRE	VALEUR
<code>family</code>	la famille de la fonte
<code>face</code>	graisse ("plain", "italic", "bold", "bold.italic")
<code>colour</code>	couleur
<code>size</code>	taille en pts
<code>hjust</code>	justification horizontale, dans [0, 1]
<code>vjust</code>	justification verticale, dans [0, 1]
<code>angle</code>	angle, dans [0, 360]
<code>lineheight</code>	hauteur de ligne (pour l'espacement entre les lignes)

Aspect général : `element_line()`

PARAMÈTRE	VALEUR
<code>colour</code>	la couleur de ligne
<code>size</code>	la taille
<code>linetype</code>	le type de ligne ("blank", "solid", "dashed", "dotted", "dotdash", "longdash", "twodash)
<code>lineend</code>	le type de fin de ligne ("round", "butt" ou "square")

Aspect général : `element_rect()`

PARAMÈTRE	VALEUR
<code>fill</code>	la couleur de remplissage
<code>colour</code>	la couleur de la bordure
<code>size</code>	la taille de la bordure
<code>linetype</code>	le type de ligne ("blank", "solid", "dashed", "dotted", "dotdash", "longdash", "twodash")

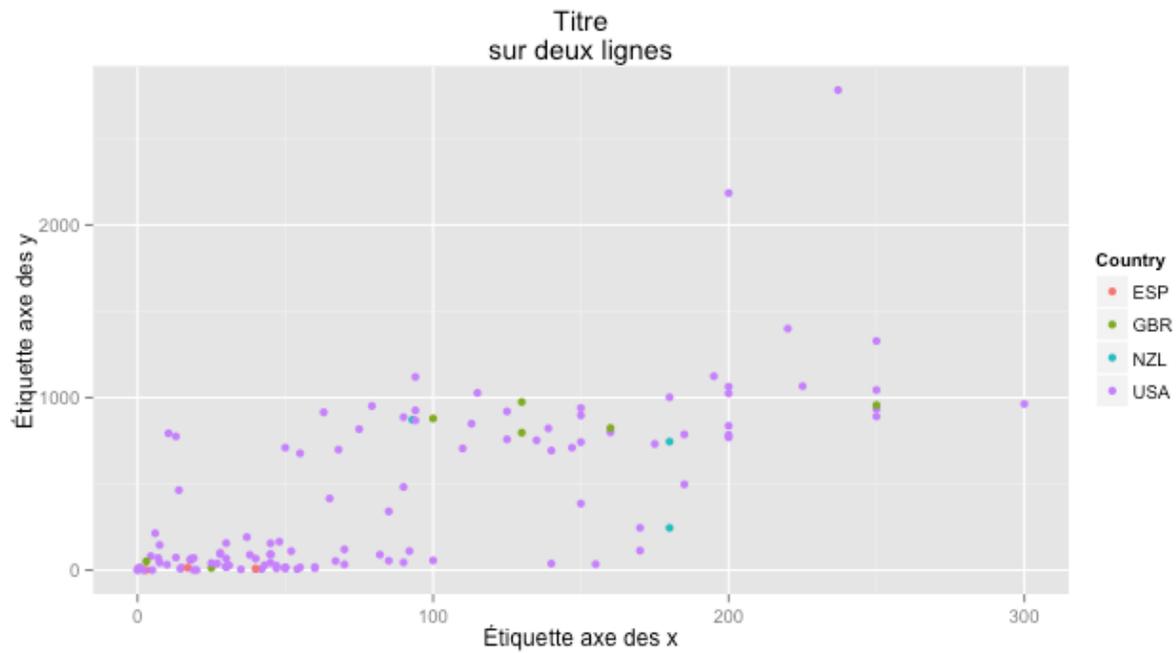
Aspect général

```
library(grid)
p <- ggplot(data = films_reduit,
            aes(x = estimated_budget/1e6, y = gross_revenue/1e6, colour = country_abr)) +
  # Tracer des points
  geom_point() +
  # Ajout d'un titre
  ggtitle("Titre\nsur deux lignes") +
  # Changement des étiquettes pour les axes
  xlab("Étiquette axe des x") +
  ylab("Étiquette axe des y") +
  # Changement du titre de la légende
  scale_colour_discrete(name = "Country")
```

Aspect général

- Le graphique utilisant le thème par défaut :

p



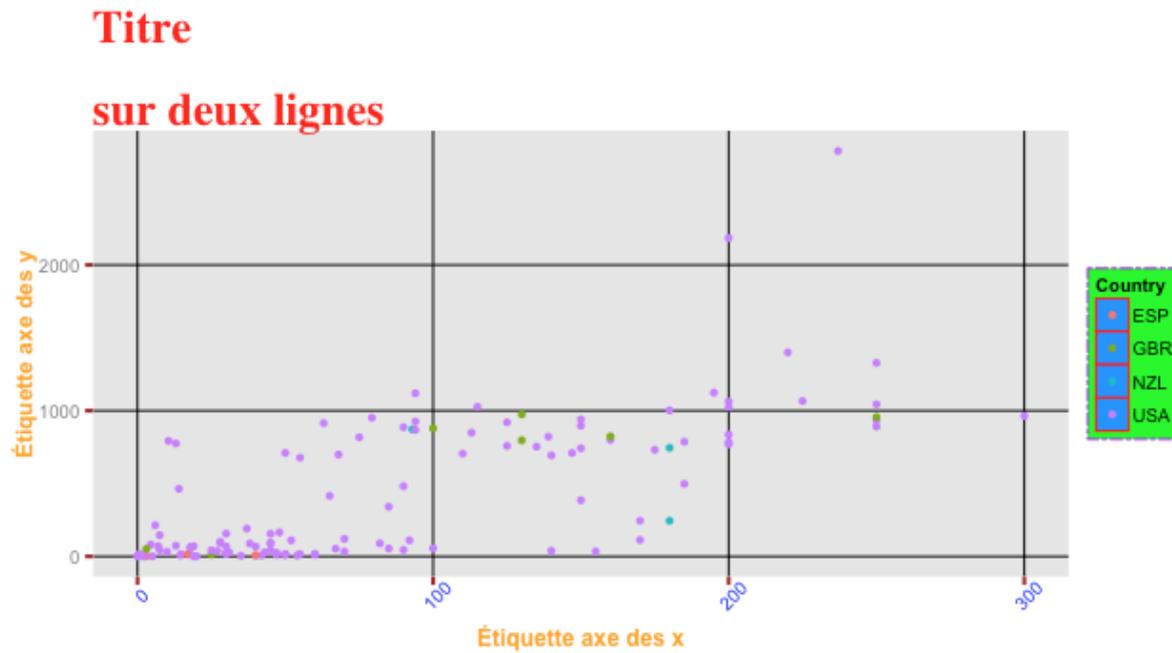
Aspect général

- En changeant certains éléments

```
p_2 <- p + theme(plot.title = element_text(family = "Times",
                                           face = "bold", colour = "red",
                                           size = rel(2), hjust = 0,
                                           lineheight = 1.5),
                axis.title = element_text(face = "bold", colour = "orange"),
                axis.text.x = element_text(colour = "blue", angle = 45),
                axis.ticks = element_line(colour = "brown", size = rel(2)),
                legend.key = element_rect(fill = "dodger blue", colour = "red"),
                legend.background = element_rect(fill = "green",
                                                  colour = "purple",
                                                  linetype = "twodash"),
                panel.grid.minor = element_blank(),
                panel.grid.major = element_line(colour = "black") )
```

Aspect général

p_2

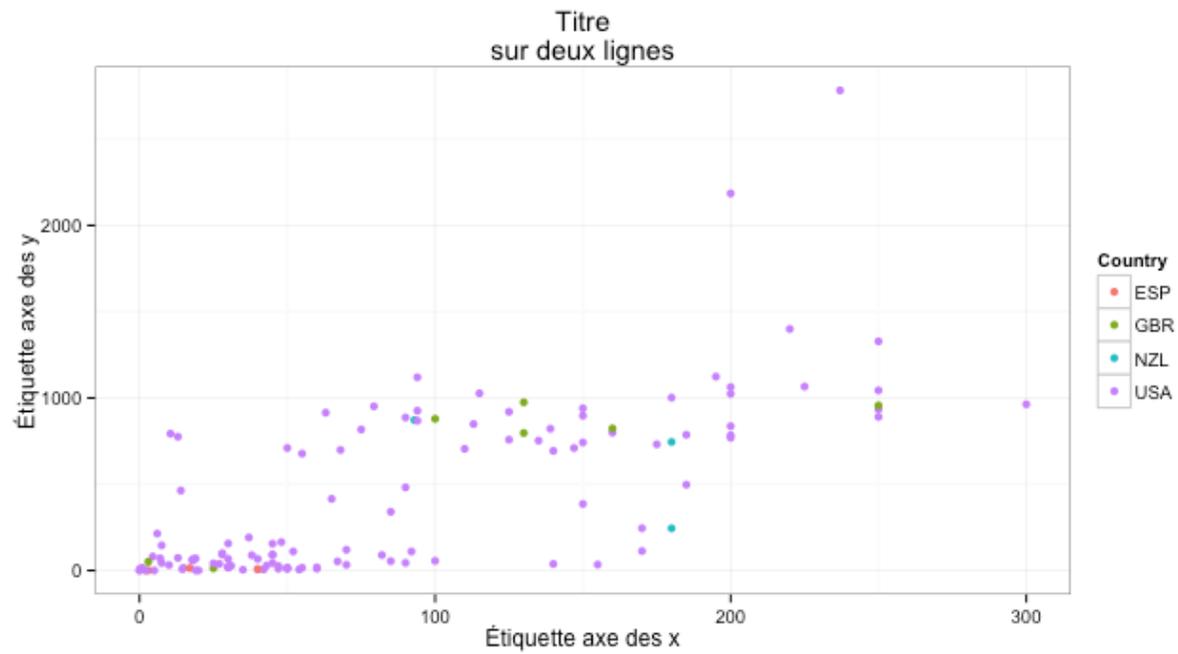


Aspect général

- Pour éviter ce genre d'horreurs : des thèmes prédéfinis existent :
 - `theme_grey()` (thème par défaut),
 - `theme_bw()`,
 - `theme_linedraw()`,
 - `theme_light()`,
 - `theme_minimal()`,
 - `theme_classic()`.

Aspect général

```
p + theme_bw()
```



Exercices

À partir du graphique suivant :

```
p <- ggplot() + geom_point(data = diamonds[sample(1:nrow(diamonds), 1000), ],  
                           aes(x = carat, y = price, colour = cut))
```

1. Mettre le fond de la zone de graphique en blanc ;
2. Changer la taille des étiquettes des axes ;
3. Changer la couleur des lignes secondaires de la grille de la zone de graphique.

Enregistrement des graphiques



Source : PhD Comics : <http://www.phdcomics.com/comics/archive.php?comid=814>

Enregistrement des graphiques

- Pour enregistrer un graphique réalisé avec `ggplot()` : `ggsave()`.

PARAMÈTRE	VALEUR
filename	nom du fichier, ou chemin et nom du fichier
plot	graphique à sauvegarder (par défaut, le dernier graphique, en faisant appel à la fonction <code>last_plot()</code>)
device	dispositif à utiliser (automatiquement extrait de l'extension du fichier indiqué au paramètre <code>filename</code>)
path	chemin vers le fichier
scale	facteur d'échelle
width	largeur (par défaut, celle de la fenêtre de graphique actuelle)
height	hauteur (par défaut, celle de la fenêtre de graphique actuelle)
units	unité pour la largeur et la longueur ("in", "cm" ou "mm")
dpi	nombre de points par pouce, uniquement pour les images matricielles
limitsize	quand TRUE (la valeur par défaut), l'image sauvegardée ne dépassera pas les 50 × 50 in

Enregistrement des graphiques

- `ggsave()` reconnaît automatiquement les extensions suivantes :
 - eps/ps,
 - tex,
 - pdf,
 - jpeg,
 - tiff,
 - png,
 - bmp,
 - svg,
 - wmf (uniquement pour Windows).

Enregistrement des graphiques

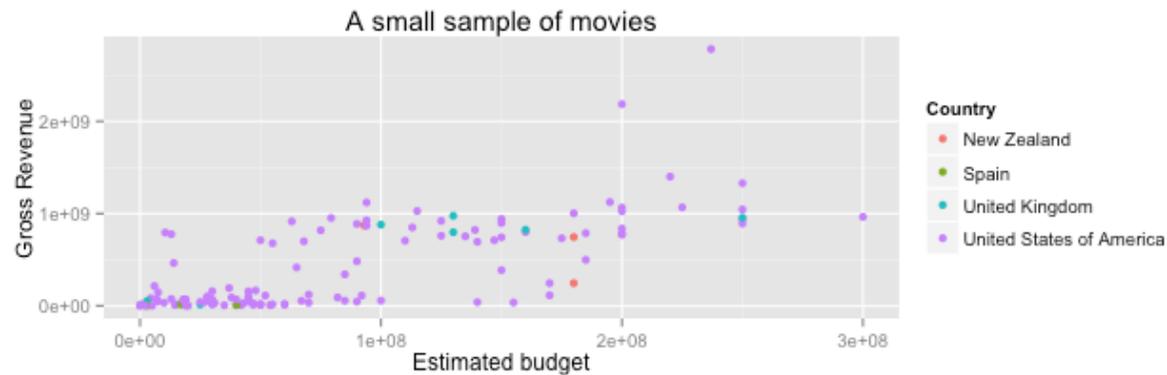
- Exemple :

```
p <- ggplot(data = films_reduit,  
            aes(x = estimated_budget, y = gross_revenue,  
                colour = country)) +  
  geom_point() +  
  xlab("Estimated budget") + ylab("Gross Revenue") +  
  scale_colour_discrete(name = "Country") +  
  ggtitle("A small sample of movies")
```

Enregistrement des graphiques

- Enregistrement du dernier graphique affiché, aux dimensions de la fenêtre de graphiques

```
p
```



```
ggsave("estim_bud.pdf")
```

Enregistrement des graphiques

- En précisant plus de paramètres :

```
ggsave(p, file = "estim_bud.pdf", width = 15, height = 8, unit = "cm", scale = 2)
```

Réaliser des cartes avec **ggplot2**



Source : [Great Maps with ggplot2, http://spatial.ly](http://spatial.ly)

Récupérer des cartes toutes faites

- Pour réaliser des cartes en **R**, il est nécessaire d'avoir les données à disposition ;
- On peut obtenir ces données de deux manières :
 - en dehors de **R**,
 - en chargeant un package.

Package `rworldmap`

- Le package `rworldmap` propose une carte du monde ;
- On accède aux données avec la fonction `getMap()` ;
- Puis il faut effectuer quelques transformations pour donner un format lisible par `ggplot()` :
 - on utilise `fortify()` pour transformer le `SpatialPolygonsDataFrame` en `data.frame`.

```
library(ggplot2)
library(rworldmap)
```

Package `rworldmap`

```
# Carte du monde
worldMap <- getMap()
# Format lisible pour ggplot()
world_df <- fortify(worldMap)
```

```
## Regions defined for each Polygons
```

```
head(world_df)
```

```
##      long      lat order hole piece      group      id
## 1 61.21082 35.65007     1 FALSE     1 Afghanistan.1 Afghanistan
## 2 62.23065 35.27066     2 FALSE     1 Afghanistan.1 Afghanistan
## 3 62.98466 35.40404     3 FALSE     1 Afghanistan.1 Afghanistan
## 4 63.19354 35.85717     4 FALSE     1 Afghanistan.1 Afghanistan
## 5 63.98290 36.00796     5 FALSE     1 Afghanistan.1 Afghanistan
## 6 64.54648 36.31207     6 FALSE     1 Afghanistan.1 Afghanistan
```

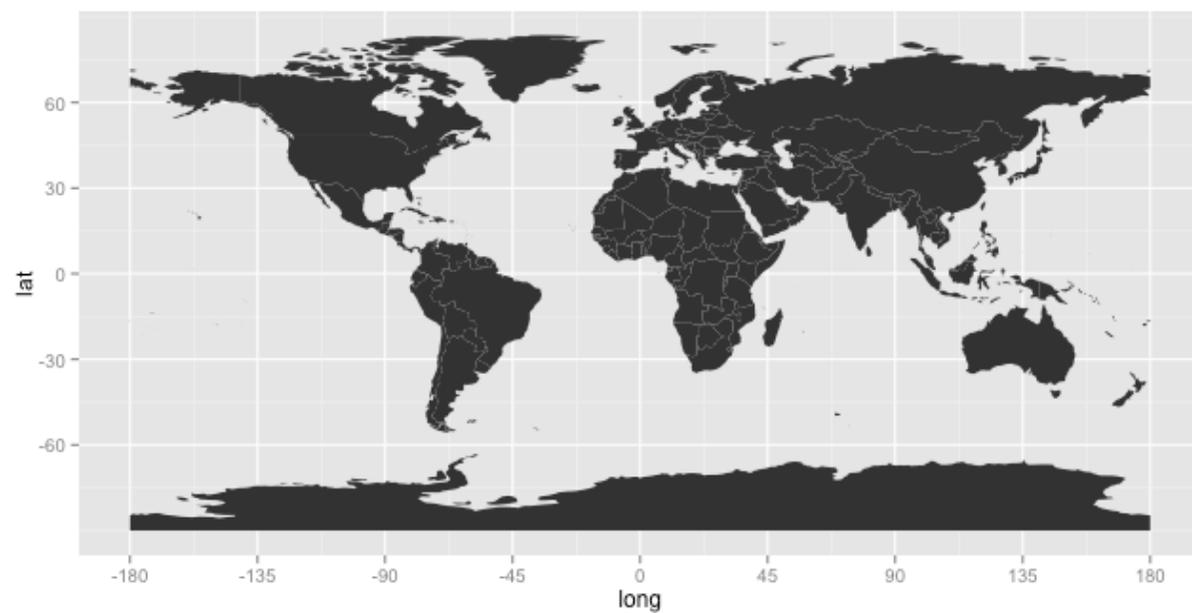
Package `rworldmap`

- Il reste à préciser le mapping ;
- Il ne faut pas oublier d'ajouter le paramètre `group`, pour bien définir chaque polygone ;
- On peut changer les positions des lignes d'arrière plan ;
- Enfin, `coord_equal()` permet de s'assurer de respecter un ratio de 1 entre les unités de `x` et `y`.

```
worldmap <- ggplot() +  
  geom_polygon(data = world_df, aes(x = long, y = lat, group = group)) +  
  scale_y_continuous(breaks = (-2:2) * 30) +  
  scale_x_continuous(breaks = (-4:4) * 45) +  
  coord_equal()
```

Package `rworldmap`

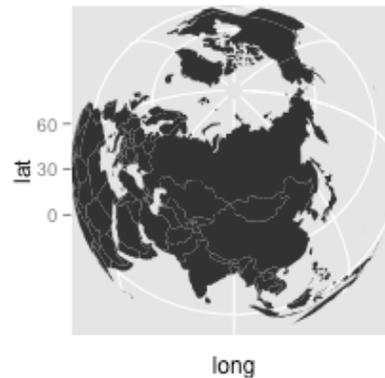
`worldmap`



Package `rworldmap`

- La fonction `cord_map()` permet de changer le système de coordonnées ;

```
(worldmap <- ggplot() +  
  geom_polygon(data = world_df, aes(x = long, y = lat, group = group)) +  
  scale_y_continuous(breaks = (-2:2) * 30) +  
  scale_x_continuous(breaks = (-4:4) * 45) +  
  coord_map("ortho", orientation=c(61, 90, 0)))
```



- Plusieurs exemples sont visibles sur le biller [Moving the North Pole to the Equator, Freakonometrics](#).

Package `maps`

- Avec `rworldmap`, on obtient des frontières de pays ;
- Pour avoir des découpages plus fins, pour certains pays, on peut regarder dans le package `maps` ;
- La fonction `map_data()` (package `ggplot2`) s'appuie sur la fonction `map` du package du même nom ;
- Elle retourne un `data.frame`, prêt à l'emploi par `ggplot()` !

Package `maps`

- Il faut fournir à `map_data()` le nom d'un pays (qui correspond au nom d'une carte) :

NOM	DESCRIPTION
county	carte des counties américains
france	carte de la France
italy	carte de l'Italie
nz	carte de la Nouvelle-Zélande
state	carte des États-Unis avec chaque état
usa	carte des États-Unis avec uniquement les frontières
world	carte du monde
world2	carte du monde centrée sur le Pacifique

Package `maps`

- Si on souhaite une région spécifique pour le pays, il faut renseigner le paramètre `region`.

```
map_fr <- map_data("france")  
  
# Le nom des régions  
head(unique(map_fr$region))
```

```
## [1] "Nord"           "Pas-de-Calais"  "Somme"         "Ardennes"  
## [5] "Seine-Maritime" "Aisne"
```

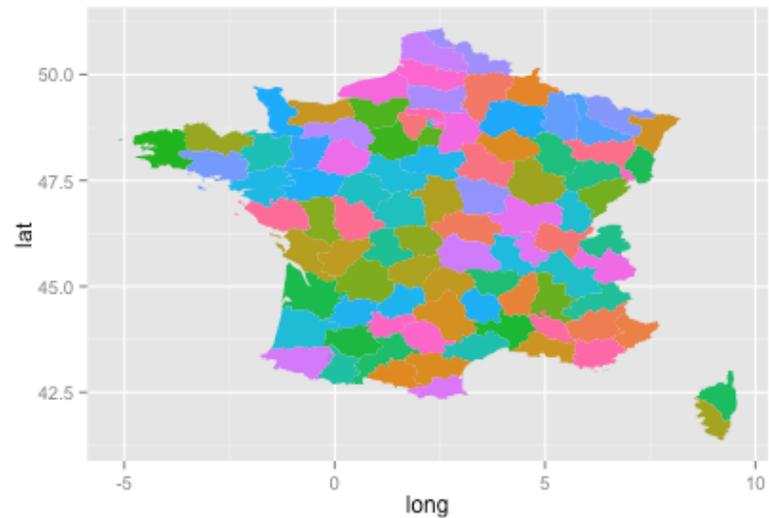
```
head(map_fr, 3)
```

```
##      long      lat group order region subregion  
## 1 2.557093 51.09752    1     1   Nord      <NA>  
## 2 2.579995 51.00298    1     2   Nord      <NA>  
## 3 2.609101 50.98545    1     3   Nord      <NA>
```

Package **maps**

- Carte de la France :

```
(p_map_fr <- ggplot(data = map_fr,  
                   aes(x = long, y = lat, group = group, fill = region)) +  
  geom_polygon() + coord_equal() + scale_fill_discrete(guide = "none"))
```



Package `maps`

- Carte de la Bretagne :

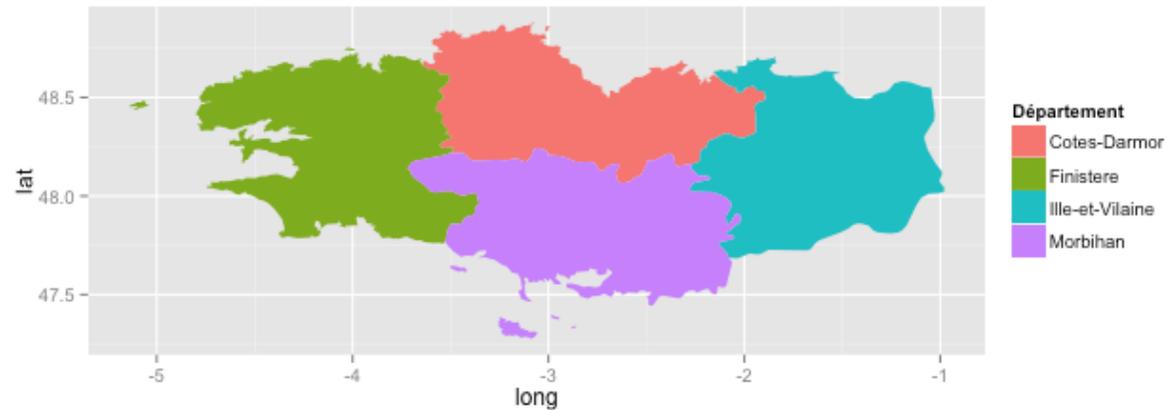
```
ind_bzh <- grep("armor|finis|vilaine|morb",  
              unique(map_fr$region), ignore.case = TRUE)  
  
(dep_bzh <- unique(map_fr$region)[ind_bzh])
```

```
## [1] "Cotes-Darmor"      "Finistere"         "Ille-et-Vilaine"  "Morbihan"
```

```
map_fr_bzh <- map_data("france", region = dep_bzh)
```

Package `maps`

```
(p_map_fr_bzh <- ggplot(data = map_fr_bzh,  
                        aes(x = long, y = lat, group = group, fill = region)) +  
  geom_polygon() + coord_equal() + scale_fill_discrete(name = "Département"))
```



Fichier shapefile

- On peut importer des fichiers **shp** (shapefile) ;
- Par exemple, pour tracer les quartiers de Rennes, on peut télécharger le **shp** : <http://www.data.rennes-metropole.fr/> ;
- L'importation se fait à l'aide de la fonction **readOGR()**, du package **rgdal**.

```
library("rgdal")  
library("maptools")  
library("ggplot2")  
library("plyr")
```

- Pour des informations plus détaillées : <https://github.com/hadley/ggplot2/wiki/plotting-polygon-shapefiles>

Fichier shapefile

```
# Importer les polygones
rennes <- readOGR(dsn="./quartiers_shp_lamb93", layer="quartiers")

# Étape pour changer la projection de la carte
rennes <- spTransform(rennes, CRS("+proj=longlat +ellps=GRS80"))

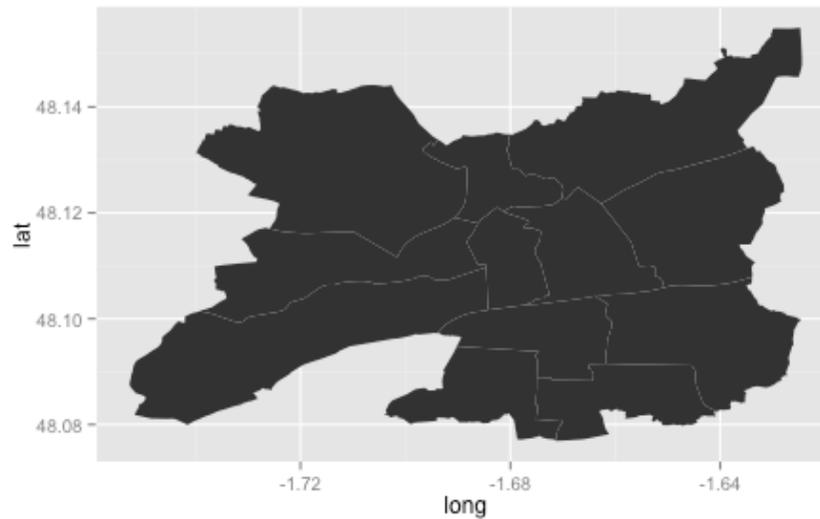
# Pour permettre la jointure des objets géométriques
rennes@data$id <- rownames(rennes@data)

# Transformer en data frame pour fournir à ggplot()
rennes_points <- fortify(rennes, region="id")

# Permet d'éviter des trous éventuels
rennes_df <- join(rennes_points, rennes@data, by="id")
```

Fichier shapefile

```
(p_map_rennes <- ggplot(data = rennes_df,  
                        aes(x = long, y = lat, group = group)) +  
  geom_polygon() +  
  coord_equal())
```



Cartes choroplèthes

- Cartes où les régions sont remplies par une couleur ;
- En fonction d'une statistique ;
- Il suffit d'ajouter une variable at `data.frame`, avec la valeur de la statistique, pour chaque ligne.

```
tx_chomage_2014_T1 <- data.frame(  
  region = c("Cotes-Darmor", "Finistere",  
            "Ille-et-Vilaine", "Morbihan"),  
  tx_chomage_2014_T1 = c(8.8, 8.8, 7.9, 9.1))  
  
# Ajout des valeurs pour chaque région  
ind_match <- match(map_fr_bzh$region, tx_chomage_2014_T1$region)  
map_fr_bzh$tx_chomage_2014_T1 <- tx_chomage_2014_T1[ind_match,  
                                                    "tx_chomage_2014_T1"]
```


Cartes choroplèthes

- On peut ajouter des annotations, par exemple, au barycentre de chaque département :

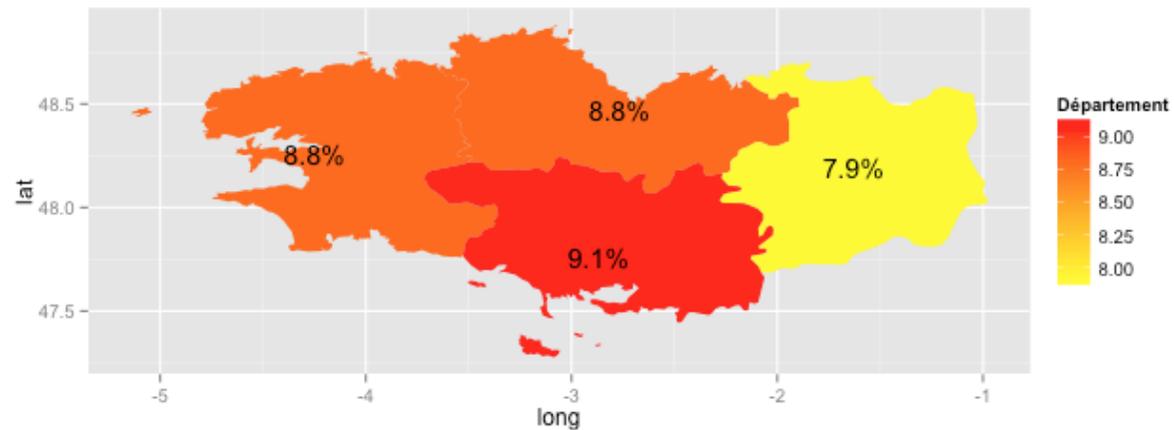
```
# Fonction pour trouver le point central du polygone
mid_range <- function(x) mean(range(x, na.rm = TRUE))
centres <- dplyr::ddply(map_fr_bzh, .(region), colwise(mid_range, .(lat, long)))

# Rajout des taux de chômage
ind_match <- match(centres$region, tx_chomage_2014_T1$region)
centres$tx_chomage_2014_T1 <- tx_chomage_2014_T1$tx_chomage_2014_T1[ind_match]

label_chomage <- paste0(centres$tx_chomage_2014_T1, "%")
```

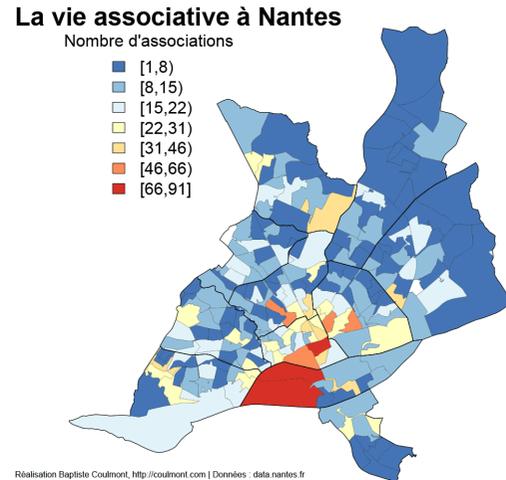
Cartes choroplèthes

```
p_map_fr_bzh + annotate("text", x = centres$long,  
                        y = centres$lat, label = label_chomage)
```



Autres cartes, sans utiliser `ggplot2`

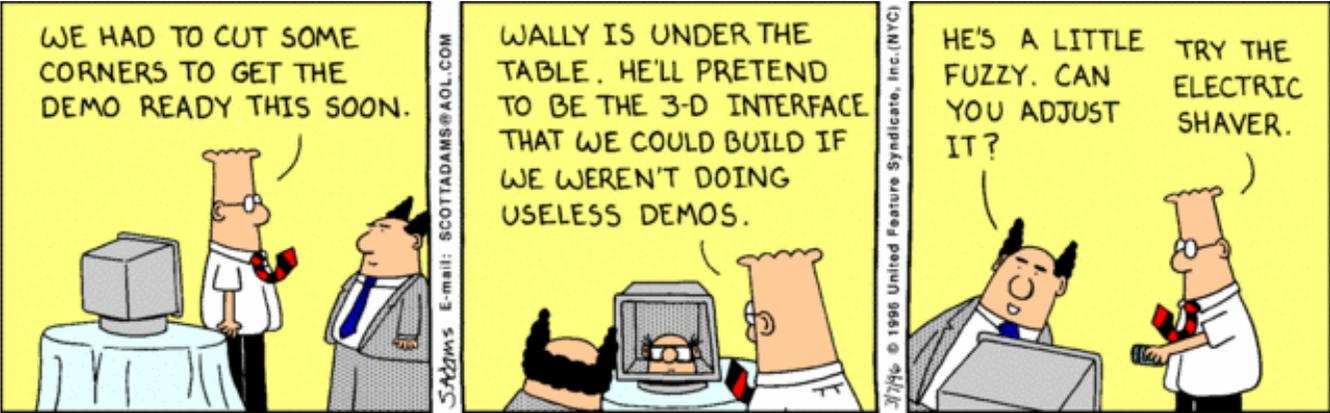
- Il est possible de réaliser de très jolies cartes sans passer par `ggplot2` :



Source : [La vie associative à Nantes \(1\)](#), Baptiste Coulmont

- Une bonne référence pour réussir à faire ces cartes : <http://coulmont.com/cartes/rcarto.pdf> ;
- Voir aussi <http://freakonometrics.hypotheses.org/2319> ;
- Ou encore, plus récent : <http://freakonometrics.hypotheses.org/17113>.

Un mot sur les graphiques en 3D



Source : Dilbert <http://dilbert.com/strips/comic/1996-03-07/>

Un mot sur les graphiques en 3D

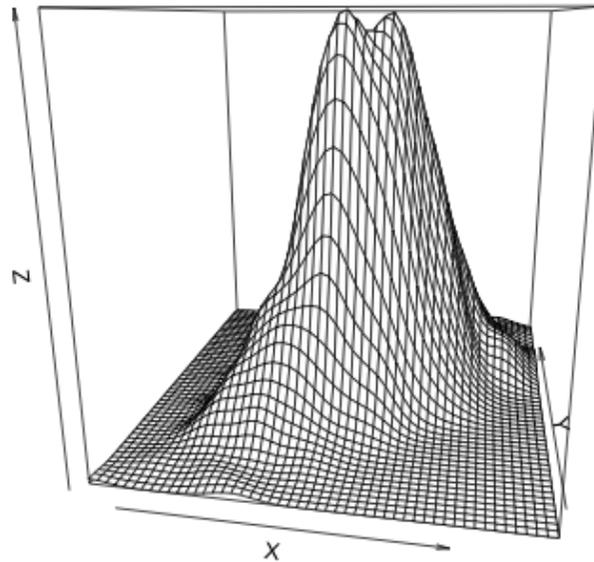
- La gestion de la 3D n'est pas encore intégrée dans `ggplot2` ;
- Nous ne nous étendrons pas sur le sujet.

```
library(MASS)
set.seed(1)
# Normale bivariée
Sigma <- matrix(c(10,3,3,2),2,2)
biv_n <- mvrnorm(n=1000, rep(0, 2), Sigma)

# Estimation de la densité par la méthode du noyau
biv_n_kde <- kde2d(biv_n[,1], biv_n[,2], n = 50)
```

Un mot sur les graphiques en 3D

```
persp(biv_n_kde, theta = 10, phi = 15, xlab = "X")
```



Un mot sur les graphiques en 3D

- Pour avoir une représentation interactive, on peut utiliser `plot3D()` du package `rgl`.

```
library(rgl)
set.seed(1)
n <- 10000
x <- rnorm(n, mean = 38)
y <- rnorm(n, mean = 42)

biv_kde <- kde2d(x, y, n = 50)
den_z <- biv_kde$z

surface3d(biv_kde$x, biv_kde$y, den_z*20, color="#FF2222", alpha=0.5)
```